

بررسی اثرات جنس، نسل و گروه ژنتیکی بر صفات اقتصادی پیله در سه لاین تجاری کرم ابریشم ایران

سمیه درمند^۱، علیرضا صیداوی^{۲*}

تاریخ دریافت: ۱۳۹۳/۱۱/۳۰

تاریخ تصویب: ۱۳۹۴/۲/۱۲

چکیده

شناسایی ذخایر ژنتیکی کرم ابریشم کشور و بررسی پتانسیل آنها اهمیت زیادی دارد. با توجه به عدم وجود اطلاعات کافی در مورد سه لاین تجاری کرم ابریشم ۱۰۳، ۳۱ و ۱۰۷ در شرایط ایران، این آزمایش با هدف بررسی اثرات جنس، نسل و لاین بر صفات اقتصادی پیله لاین‌های تجاری فوق انجام شد. داده‌های فنوتیپی مربوط به سه نسل در سال‌های ۱۳۸۱ و ۱۳۸۲ این سه لاین از مرکز تحقیقات کرم ابریشم کشور اخذ شد. داده‌های مورد استفاده شامل ۸ خانواده $\times 3 \times 3 \times 3$ لاین $\times 2 \times 2 \times 2$ جنس $\times 25$ فرد (۱۰۸۰۰ رکورد) بود. مقایسه میانگین‌ها به تفکیک لاین، نسل، و جنس در کل لاین‌ها و برای هر لاین انجام شد. اثر ثابت لاین، نسل و جنس در سطح ۰/۰۱ بر روی صفات وزن پیله، وزن قشر پیله و درصد قشر پیله معنی دار بود ($P < 0.01$). میانگین صفات در سه لاین مورد مطالعه به لحاظ آماری دارای اختلاف معنی داری بودند ($P < 0.05$)؛ به نحوی که میانگین وزن پیله و میانگین وزن قشرپیله برای لاین‌های ۳۱ (60.1 ± 28.0 گرم و 10.3 ± 0.5 گرم) و ۱۰۳ (62.1 ± 22.0 گرم و 10.0 ± 0.36 گرم) بیشتر از لاین ۱۰۷ (21.0 ± 1.39 گرم و 10.0 ± 0.28 گرم) بود، اما میانگین درصد قشر پیله در لاین ۱۰۳ (22.76 ± 2.75) نسبت به دو لاین دیگر بیشتر بود. این صفت برای لاین ۱۰۷ (20.90 ± 2.31) کمتر از بقیه بود. در مجموع لاین‌های ۳۱ و ۱۰۳ بیشترین خصوصیات کمی و لاین ۱۰۷ کمترین خصوصیات کمی را داشتند. اثر نسل بر تفاوت میان میانگین وزن پیله، میانگین وزن قشر پیله و میانگین درصد قشر پیله معنی دار بود. نسل دوم نسبت به دو نسل دیگر دارای میانگین وزن پیله (16.48 ± 1.0 گرم) و میانگین وزن قشر پیله (10.0 ± 0.53 گرم) بیشتری بود، اما میانگین درصد قشر پیله (21.651 ± 2.051) آن نسبت به نسل قبل و بعد خود کمتر بود ($P < 0.05$). همچنین سه صفت وزن پیله، وزن قشرپیله و درصد قشرپیله در دو جنس نر و ماده با هم اختلاف معنی داری داشتند و جنس ماده نسبت به نر در دو صفت وزن پیله و وزن قشرپیله مقدار بالاتری را به خود اختصاص داده است ($P < 0.05$).

واژه‌های کلیدی: نسل، جنس، بومبیکس موری، صفت، عملکرد

۱- گروه علوم دامی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد کرج، کرج

۲- گروه علوم دامی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد رشت، رشت

(alirezaseidavi@iaurasht.ac.ir)

* عهدہ دار مکاتبات: (alirezaseidavi@iaurasht.ac.ir)

مقدمه

کرم ابریشم اهلی (بومبیکس موری) مهم‌ترین تولیدکننده ابریشم است. ابریشم از محصولات کشاورزی آسیای قدیم است. ابریشم و محصولات فرعی آن را می‌توان برای اهداف زیادی مورد استفاده قرار داد. ابریشم، رشته‌ای است نازک، بلند، سبک، نرم و از نظر خصوصیت، جاذبه الرطوبه، رنگ پذیر، مقاوم به نوسانات گرمایی، عایق‌پذیر الکتریکی و درخششنا. مواد اوّلیه ابریشم علاوه بر تولید البسه جهت ساخت چتر نجات، تودوزی لاستیک، مواد عایق الکتریکی، رگ‌های خونی مصنوعی و نخ جراحی نیز به کار گرفته می‌شود. در حال حاضر این صنعت تقریباً تمام قارها را در بر می‌گیرد (بیزنیا و صیداوی، ۱۳۸۶).

تولید پیله کرم ابریشم و ابریشم خام از عوامل متعددی مانند ظرفیت ژنتیکی واریته‌های تجاری، کیفیت تخم نوغان، آفات و بیماری‌ها، کیفیت برگ توت، آب و هوا، روش پرورش، مدیریت و عملیات ابریشم‌کشی تأثیر می‌پذیرد. هدف اصلاح نژاد بهبود میانگین صفات از طریق افزایش پتانسیل ژنتیکی لاین‌های تجاری مورد استفاده در آمیخته‌گری است. در شرایط بحرانی فعلی نوغانداری کشور افزایش توان تولیدی آمیخته‌های تجاری کرم ابریشم (شامل افزایش میانگین وزن پیله و وزن قشر ابریشمی پیله به همراه جلوگیری از کاهش مقاومت آمیخته‌ها) از اهداف اصلی جهت افزایش سود تولیدکنندگان تخم نوغان، تولیدکنندگان پیله و تولیدکنندگان الیاف ابریشمی و نجات این صنعت از انقراض است و در این راستا اصلاح نژاد می‌تواند نقش ارزشمندی در جهت نیل به اهداف ذکر شده ایفا نماید و لذا باید با تحلیل دقیق سیستم فعلی نوغانداری کشور و سیاستگزاری جهت اصلاح آن اهداف اصلاح نژادی را بر پایه سیاستهای کلان صنعت و افزایش سود سیستم و کاهش هزینه‌های آن پایه‌ریزی نمود (صیداوی و همکاران، ۱۳۸۲). از سویی دیگر هر نژاد بهبود کمی و کیفی تخم نوغان تجاری کشور، به نوبه خود تأثیر مستقیم بر وضع معیشتی کشاورزان تولیدکننده ابریشم و نیز تأثیر غیر مستقیم بر زندگی بافتگان و دست اندکاران صنعت فرش خواهد گذاشت.

سینگ و همکاران^۱ (۱۹۹۸) و سخاراپا و همکاران^۲ (۱۹۹۹) معتقد بودند که اصلاح صفت‌های الیاف ابریشم و پیله مهم‌ترین هدف اصلاح نژاد است. متخصصان ژنتیک تاکنون بیش از دویست جهش را در این کرم ابریشم شناسایی کرده و علاوه بر آن صدھا نژاد اصلاح شده ژنتیکی در کشورهای مختلف که پرورش کرم ابریشم رایج بوده است، نگهداری می‌شوند. این نژادها از نظر صفات ارثی و ویژگی‌های کمی مثل اندازه بدن، عادات غذایی، تحمل به گرما و مقاومت به بیماری متفاوت هستند (ناگاراجو و همکاران، ۲۰۰۲).

بریاتازکی^۳ و تانکسلی^۴ (۱۹۸۹) و کریپس^۵ (۱۹۹۴) هم با استفاده از PCR و روش‌های مثل RAPD و SSR

1- Singh

2- Sekharappa

3- Berbatzky

4- Tanksley

5- Cripps

ویلیامز^۱ و همکاران (۱۹۹۰) با استفاده از (ISSR)، زیت کیه ویکز^۲ و همکاران (۱۹۹۴) با استفاده از AFLP، وس^۳ و همکاران (۱۹۹۵) با استفاده از RFLP، تنوع ژنتیکی را در کرم ابریشم بررسی کردند. تسومورا^۴ و همکاران (۱۹۹۶)، دایاناندان^۵ و همکاران (۱۹۹۷)، گابیرسلسن^۶ و بروچمن^۷ (۱۹۹۸)، ولف^۸ و همکاران (۱۹۹۸)، هایاشی^۹ و همکاران (۱۹۹۹)، و میائو^{۱۰} و همکاران (۲۰۰۵) هم بخش‌هایی از نقشه‌های پیوستگی ژن را در کرم ابریشم تهیه کردند. واریته‌های کرم ابریشم ایران جزء ذخایر ژنتیکی محسوب می‌شوند. این موجودات که سال‌ها و نسل‌ها با انتخاب طبیعی و مصنوعی در شرایط کشور زندگی کرده‌اند، نسبت به بسیاری از محدودیت‌های محیطی و بیماری‌های مقاومت پیدا کرده‌اند، جهت استفاده از این ذخایر در اصلاح نژاد کرم ابریشم لازم است که نسبت به خصوصیات اقتصادی و تجاری آنها اطلاعات دقیقی وجود داشته باشد تا در صورت نیاز بتوان با استفاده از ژن‌های مطلوب آنها، عملکرد لاين‌ها و آمیخته‌های تجاری مورد استفاده درکشور را بهبود بخشد. شناسایی ذخایر ژنتیکی کرم ابریشم کشور و بررسی پتانسیل آنها برای مطالعات علمی و کاربردی بعدی اهمیت زیادی دارد. بهره‌برداری از پتانسیل‌های بالای این ذخایر ژنتیکی و به فعلیت درآوردن توانایی‌های اقتصادی این ذخایر مستلزم شناسایی علمی و مبتنی بر پژوهش‌های پایه درباره عملکرد لاين‌های مختلف این حشره است. با توجه به عدم وجود اطلاعات کافی در مورد سه لاين تجاری کرم ابریشم ۱۰۳، ۳۱ و ۱۰۷ جمهوری اسلامی ایران، هدف این تحقیق بررسی اثرات جنس، نسل و لاين بر صفات اقتصادی پیله این سه لاين تجاری کرم ابریشم بود.

مواد و روش‌ها

ركوردهای این تحقیقات کرم ابریشم کشور واقع در دهستان پسیخان رشت تهیه شد. اطلاعات مورد استفاده در این تحقیق شامل رکوردهای انفرادی وزن پیله، وزن قشر پیله و درصد قشر پیله و همچنین اطلاعات مربوط به شماره حیوان، شماره پدر، شماره مادر، شماره نسل، شماره خانواده و جنس (نر و ماده) پس از جمع‌آوری توسط نرم افزار اکسل در رایانه ثبت و ذخیره شدند. برای اجرای این طرح، داده‌های فنوئیپی مربوط به سه نسل در سال‌های ۱۳۸۰، ۱۳۸۱ و ۱۳۸۲ و سه لاين تجاری کرم ابریشم ۱۰۳، ۳۱ و ۱۰۷ از مرکز تحقیقات کرم ابریشم کشور اخذ شد. داده‌های مورد استفاده شامل ۸ خانواده × ۳× نسل × ۳× لاين × ۲× جنس × ۲۵ فرد

1- Williams

2- Zietkiewicz

3- Vos

4- Tsumura

5- Dayanandhan

6- Gabierssen

7- Brochman

8- Wolfe

9- Hayashi

10- Miao

(۱۰۸۰۰ رکورد) بود. برای تشکیل جامعه مبنا بطور تصادفی افراد در سال ابتدای جمع‌آوری داده‌ها نمونه‌برداری و رکورددگیری شدند. برای جمع‌آوری این اطلاعات و قبل از شروع آزمایش، تعیین جنسیت افراد از روی فنوتیپ دستگاه تناسلی شفیره‌ها انجام گرفت. برای توزین وزن پیله و وزن قشر پیله آن از ترازوی دیجیتالی حساس با دقیقیت ۰/۰۱ گرم استفاده گردید.

مقایسه میانگین‌ها به تفکیک لاین و نسل به تفکیک لاین و جنس به تفکیک لاین و نسل در کل لاین‌ها و جنس در کل لاین‌ها انجام شد. برای این منظور گزارشگیری اویله انجام شد و از رویه آماری MINS در SAS با سطح ۶ استفاده شد و اطلاعاتی نظری تعداد مشاهدات، میانگین، انحراف معیار و مقادیر حداقل و حداکثر داده‌ها برای هر صفت در هر لاین و نیز به تفکیک نسل‌ها و جنس‌های مختلف استخراج گردید. برای مقایسه آماری صفات مختلف از مدل آماری زیر استفاده شد.

$$Y_{ij} = m + S_i + M_j$$

Y_{ij} = رکورد یا فنوتیپ از صفت فرد

m = میانگین صفت

S_i = اثر نسل یا دوره پرورشی یا سال-فصل (سه نسل) ($i=1$ تا 3)

M_j = اثر جنس (نر و ماده) ($j=1$ تا 2)

که این مدل تفاوت بین لاین‌ها و نسل‌ها و جنس‌های مختلف را برای هر صفت نشان می‌دهد. برای مقایسه میانگین صفات مختلف به تفکیک هر یک از لاین‌ها هم از مدل آماری زیر استفاده شد.

$$Y_{ij} = S_i + M_j$$

Y_{ij} = رکورد یا فنوتیپ از صفت فرد

S_i = اثر نسل یا دوره پرورشی یا سال-فصل (سه نسل) ($i=1$ تا 3)

M_j = اثر جنس (نر و ماده) ($j=1$ تا 2)

مقایسه آماری میانگین‌ها در این حالت با استفاده از گروه‌بندی دانکن در سطح آماری پنج درصد انجام شد. میانگین‌های حداقل مربعات حاصل از مدل خطی عمومی از رویه GLM نرم افزار SAS در سطوح مختلف نسل‌ها به طور کلی و به تفکیک لاین‌ها به دست آمده و مورد مقایسه آماری قرار گرفت.

نتایج و بحث

نتایج آزمایش در جداول ۱ الی ۷ خلاصه شده است. جدول ۱، خلاصه تجزیه واریانس اثر ثابت لاین، نسل و جنس در سه لاین مورد مطالعه را نشان می‌دهد. آماره F نشان می‌دهند اثر ثابت لاین، نسل و جنس در سطح ۰/۰۱ بر روی صفات وزن پیله، وزن قشر پیله و درصد قشر پیله معنی‌دار هستند ($P < 0/01$). جدول ۲، مقایسه میانگین صفات

مورد بررسی به تفکیک لاین‌های مورد مطالعه را نشان می‌دهد که میانگین این خصوصیات کمی در سه لاین مورد مطالعه به لحاظ آماری اختلاف معنی‌داری بودند ($P < 0.05$)؛ به نحوی که میانگین وزن پیله و میانگین وزن قشرپیله برای لاین‌های ۳۱ ($60 \pm 28/0$ گرم) و ۱۰۳ ($35 \pm 5/0$ گرم) و ۲۸ (42 ± 1 گرم و $50 \pm 6/0$ گرم) بیشتر از لاین ۱۰۷ ($21 \pm 39/0$ گرم و $28 \pm 20/0$ گرم) بود، اما میانگین درصد قشر پیله در لاین ۱۰۳ ($75 \pm 2/0$) نسبت به دو لاین دیگر بیشتر بود که این مقدار برای لاین ۱۰۷ ($90 \pm 2/0$) کمتر از بقیه بود. در مجموع لاین‌های ۳۱ و ۱۰۳ بیشترین خصوصیات کمی و لاین ۱۰۷ کمترین خصوصیات کمی را داشتند.

جدول ۳ مقایسه میانگین صفات مورد بررسی به تفکیک نسل‌های مورد مطالعه را مشخص می‌کند. اثر نسل بر تفاوت میان میانگین وزن پیله، میانگین وزن قشر پیله و میانگین درصد قشر پیله معنی‌دار بود. نسل دوم نسبت به دو نسل دیگر دارای میانگین وزن پیله ($48 \pm 1/0$ گرم) و میانگین وزن قشر پیله ($53 \pm 3/0$ گرم) بیشتری بود، اما میانگین درصد قشر پیله ($51 \pm 6/0$) آن نسبت به نسل قبل و بعد خود کمتر بود.

جدول ۴ مقایسه میانگین صفات مورد بررسی به تفکیک جنس‌های مورد مطالعه است که نشان می‌دهد اثر جنس بر روی صفات مورد مطالعه معنی‌دار است ($P < 0.05$)؛ به نحوی که جنس ماده دارای میانگین وزن پیله بیشتری نسبت به جنس نر ($70 \pm 1/0$ گرم در برابر 47 ± 1 گرم) است، اما میانگین وزن قشر پیله و میانگین درصد قشر پیله برای جنس نر (به ترتیب $342 \pm 10/0$ گرم و $357 \pm 0/0$ گرم و 73 ± 23) است. در جداول ۵ الی ۷ اثربارت نسل و جنس به تفکیک لاین‌های مورد مطالعه بررسی شده است. خلاصه تجزیه واریانس و مقایسه اثر ثابت نسل و جنس در لاین ۳۱ نشان داد اثرات نسل و جنس بر خصوصیات کمی اندازه‌گیری شده معنی‌دار بود ($P < 0.01$) (جدول ۵). نتایج تحقیق نشان داد میانگین وزن پیله و وزن قشر پیله در نسل‌های مختلف تفاوت معنی‌داری دارند و مقادیر آن طی نسل‌های متوالی کاهش یافته است؛ اما در مورد درصد قشر پیله گرچه بین نسل‌ها به لحاظ آماری تفاوت وجود دارد، اما در نسل دوم کمترین مقدار به وجود آمده است که این مقدار در نسل سوم جبران شده است (جدول ۶). به لحاظ آماری جنس‌های نر و ماده این لاین دارای وزن پیله، وزن قشر پیله و درصد قشر پیله متفاوتی هستند ($P < 0.05$) در این لاین تنها درصد قشر پیله جنس نر ($23 \pm 8/0$) از جنس ماده ($20 \pm 6/4$) بیشتر است، ولی وزن پیله و وزن قشر پیله برای جنس ماده بیشتر از جنس نر است (جدول ۷).

خلاصه تجزیه واریانس و مقایسه اثر ثابت نسل و جنس در لاین ۱۰۳ نشان داد که اثرات نسل و جنس بر وزن پیله و وزن قشر پیله ($P < 0.01$) و جنس بر درصد قشر پیله ($P < 0.05$) معنی‌دار بود، اما نسل بر درصد قشر پیله تأثیر معنی‌داری نشان نداد (جدول ۵). به لحاظ آماری وزن پیله، وزن قشر پیله در نسل‌های متوالی دارای اختلاف معنی‌داری بود ($P < 0.05$) و روند رو به افزایشی را تا نسل دوم نشان می‌دهد، اما این روند در نسل سوم رو به کاهش می‌گذارد. اما در مورد درصد قشر پیله گرچه بین نسل‌ها به لحاظ آماری تفاوت وجود ندارد، اما در نسل دوم کمترین مقدار به وجود آمد که این مقدار در نسل سوم جبران شده است (جدول ۶) به لحاظ آماری

جنس‌های نر و ماده این لاین دارای وزن پیله، وزن قشر پیله و درصد قشرپیله متفاوتی هستند ($P<0.05$) در این لاین تنها درصد قشر پیله جنس (۲۴/۸۰۹) از جنس ماده (۲۰/۷۲۹) بیشتر بود، ولی وزن پیله و وزن قشر پیله برای جنس ماده بیشتر از جنس نر است (به ترتیب ۱/۷۹۴ گرم و ۰/۳۷۱ گرم در برابر ۰/۴۵۹ گرم و ۰/۳۶۱ گرم) (جدول ۷). همچنین تجزیه واریانس اثربخش نسل و جنس در لاین ۱۰۷ نشان داد که اثرات نسل و جنس بر خصوصیات کمی اندازه‌گیری شده معنی دار بود ($P<0.01$) (جدول ۵).

به لحاظ آماری وزن پیله، وزن قشر پیله در نسل‌های متواالی با هم متفاوت است ($P<0.05$). وزن پیله روند رو به افزایشی را تا نسل دوم نشان داد؛ اما این روند در نسل سوم رو به کاهش می‌گذارد. وزن قشر پیله روند نزولی را در بین نسل‌های متواالی داشته است. در مورد درصد قشر پیله گرچه بین نسل‌ها به لحاظ آماری تفاوتی وجود ندارد، اما در نسل دوم کمترین مقدار به وجود آمد که این مقدار در نسل سوم جبران شد (جدول ۶).

به لحاظ آماری جنس‌های نر و ماده لاین ۱۰۷ دارای وزن پیله، وزن قشر پیله و درصد قشر پیله متفاوتی بودند ($P<0.05$) در این لاین تنها درصد قشر پیله جنس (۲۲/۶۲۶) از جنس ماده (۱۹/۱۱۹) بیشتر است، ولی وزن پیله و وزن قشرپیله برای جنس ماده بیشتر از جنس نر است (به ترتیب ۱/۵۴۸ گرم و ۰/۲۹۵ گرم در برابر ۱/۲۴۳ گرم و ۰/۲۸۱ گرم) (جدول ۷).

درکل در هر سه لاین، صفت وزن پیله روند افزایشی را از نسل اول به دوم و سپس روند کاهشی را نشان داده است. این روند برای وزن قشر پیله تقریباً نزولی است؛ اما برای درصد قشر پیله از نسل اول به دوم کاهش سپس افزایش یافت (جدول ۶). تفاوت وزن پیله، وزن قشر پیله و درصد قشر پیله در جنس‌های نر و ماده سه لاین مشابه هم است، یعنی وزن پیله و وزن قشر پیله جنس ماده هر سه نسل از جنس نر آن بیشتر، ولی درصد قشر پیله در تمام نسل‌ها برای جنس نر بیشتر از جنس ماده است (جدول ۷).

لی^۱ (۱۹۹۲) هم اثر نسل روی تعداد کل پیله تولیدی، درصد پیله خوب، متوسط و ضعیف، وزن کل پیله خوب، وزن پیله ده هزار لارو و طول دوره لاروی را معنی‌دار گزارش کرد. همچنین اثر نسل (سال-فصل) برای خصوصیات مربوط به مقاومت شامل تعداد لارو زنده، تعداد شفیره زنده و درصد ماندگاری شفیره را معنی‌دار دانست. ترات^۲ (۱۹۹۹) معتقد بود مقاومت انفرادی مستقیماً با سازگاری و توان زنده ماندن و جریان ژنی فرد به نسل بعد ارتباط داشته و انتخاب طبیعی در نسل‌های متواالی با حذف افراد حساس، سریعاً موجب یکنواخت شدن نوع و آلل‌های درگیر و از بین رفتن آلل‌های نامطلوب می‌گردد.

گریس^۳ و همکاران (۲۰۰۰) گزارش کردند در صورت وجود آمیزش‌های تصادفی در نسل‌های متواالی در جمعیت‌های کرم ابریشم انتخاب طبیعی، طبیعت ژنی لاین‌ها را به سمت دارا بودن ژن‌های اصلی و حد نهایی

1- Li

2- Traut

3- Greiss

ژن‌های تنظیم کننده سوق خواهد داد. از طرف دیگر در اکثر نژادهای جانداران وجود همبستگی ژنتیکی منفی میان خصوصیات مقاومت و خصوصیات تولیدی به اثبات رسیده است. بنابراین انتظار می‌رود در صورت وجود آمیزش تصادفی، طبیعت با مقاوم ساختن حیوانات در برابر محیط خارجی بومی، تعادل هارדי واینبرگ صفات تولیدی را بر خلاف خواست و منافع انسان تغییر دهد و به این علت است که حیوانات بومی دارای مقاومت مطلوب بوده و در اکثر صفات تولیدی از کمیت نامطلوبی برخوردارند. بر عکس با انتخاب روی خصوصیات تولیدی لاین‌های کرم ابریشم و افزایش چشمگیر توان تولیدی آنها در نسل‌های متوالی، مقاومت آنها به شدت کاهش پیدا خواهد کرد. وزن پیله توسط هر دو اثرات مستقیم و اثرات مادری کنترل می‌شود. همچنین اثر غالیت مستقیم بالاتر از افزایش مستقیم بوده و اثر افزایشی مادری از تسلط مادری بزرگتر است. وزن قشر پیله اصولاً توسط اثرات مستقیم متأثر می‌شود. نسبت قشر پیله اول توسط اثرات افزاینده مادری کنترل شده توسط افزاینده مستقیم دنبال می‌شود. اثرات سیتوپلاسم برای صفات وجود دارد؛ اما محتویات واریانس کمتر است. عموماً یک رابطه منفی بین اثر مستقیم و اثر مادری وجود دارد و اندازه واریانس اثر باقی مانده نهایی هم کوچک است (ناگارجو، ۱۹۹۸).

صیداوی^۱ و همکاران (۱۳۸۶) هم با بررسی شش لاین نشان دادند انتخاب مستقیم باعث افزایش وزن پیله در نسل بعد می‌گردد این امر توسط پژوهش‌های دیگر هم ثابت و توارث پذیری این صفت بین ۵۰/۰ - ۶۵/۰ گزارش گردید. انتخاب والدین براساس وزن پیله، باعث تأثیر معنی‌داری بر خصوصیات تولیدمثلی و مقاومت لاین‌های نتاج نمی‌شود. پیش از این جایساوال^۲ و همکاران (۲۰۰۰)، و ناچیوا^۳ (۱۹۸۹) در مورد لاینهای نتاج به نتاج مشابهی دست یافته بودند. این امر میتواند ناشی از عدم وجود همبستگی منفی معنی‌دار بین صفات پیله با خصوصیات تولیدمثلی و مقاومت در لاینهای مورد بررسی باشد. مقاومت انفرادی مستقیماً با سازگاری و توان زنده ماندن و جریان ژنی فرد به نسل بعد ارتباط داشته و انتخاب طبیعی در نسل‌های متوالی با حذف افراد حساس، سریعاً موجب یکنواخت شدن نوع و آللهای درگیر و از بین رفتن آلللهای نامطلوب میگردد. چن و همکاران (۱۹۹۶) اعلام کردند که مقاومت در کرم ابریشم به وسیله یک جفت ژن غالب روی کروموزوم غیرجنسی کنترل می‌شود. آنها همچنین نشان دادند که این خصوصیت تحت کنترل ژن‌های تنظیم کننده روی کروموزوم جنسی قرار دارد. گریس و همکاران (۲۰۰۰) گزارش کردند مقاومت در کرم ابریشم از توارث کمی - کیفی تبعیت میکند. در صورت وجود آمیزش‌های تصادفی در نسل‌های متوالی در جمعیت‌های کرم ابریشم، انتخاب طبیعی، ساختار ژنی لاینها را به سمت دارا بودن ژن‌های اصلی و حد نهایی ژن‌های تنظیم کننده سوق خواهد داد. لی (۱۹۹۲) هم توصیه کرد انتخاب لاینها براساس وزن پیله در هر لاین به طور جداگانه مورد عمل قرار گیرد و برای همه لاینها از شدت انتخاب مشابهی استفاده نشود. بنا به گزارش لی (۱۹۹۲) اثر گروه روی برخی خصوصیات شامل درصد پیله دوبل، وزن پیله، وزن قشر پیله وزن پیله ده هزار لارو،

1- Seidavi

2- Jayaswal

3- Nacheva

در صد قشر پیله، در صد ماندگاری شفیره، در صد پیله خوب و متوسط و در صد پیله ضعیف معنی دار بود. لی (۱۹۹۲) معتقد بود اثر جنس روی خصوصیات انفرادی پیله به شدت معنی دار است که با نتایج این تحقیق همخوانی دارد. صیداوی و همکاران (۱۳۸۶) مشاهده کردند که نتایج مشابه و پاسخ یکسانی برای صفات در صد تفریخ، در صد ماندگاری شفیره و در صد تخمها نابارور در لاینهای مختلف ایجاد نمیشود. در واقع به دلیل تفاوت توارث‌پذیری و انحراف معیار فنوتیپی صفات در واریتهای مختلف، میزان پاسخ به انتخاب برای در صد تفریخ، در صد ماندگاری شفیره و در صد تخمها نابارور یکسان نیست. میزان پاسخ به انتخاب انفرادی در هر نسل تابع شدت انتخاب، و راثت‌پذیری و انحراف معیار فنوتیپی است. همچنین متفاوت بودن مقادیر کمی اختلاف دو گروه شاهد و انتخابی در آمیختهای مختلف، ناشی از تفاوت و راثت‌پذیری و انحراف معیار فنوتیپی این صفات در لاینهای والدی میباشد، بر این اساس به طور کلی مشخص میشود که با توجه به گزارش‌های متعدد مبنی بر وجود همبستگی مثبت در صفات تولیدمثلی و مقاومت، علیرغم وجود گزارش‌هایی از همبستگی منفی بین صفات کمی پیله با صفات تولید مثلی و مقاومت در برخی سویه‌ها، انتخاب گله لاین (P3) در لاینهای مورد بررسی براساس صفات کمی پیله، تأثیر معنی داری بر در صد تفریخ، در صد تخم پوچ و ماندگاری شفیره در گله‌های P2 نداشته، و می‌توان به منظور افزایش میانگین تولید در نتاج به سیستم‌های انتخاب توجه ویژه نمود. در لاینهای چینی، واریانس ژنتیکی غیر افزایشی نقش کمتری در بروز فنوتیپی صفات مقاومت داشته و انتظار میروند خصوصیات مذکور (بخصوص در صد ماندگاری شفیره) کمتر تحت تأثیر اثرات هتروتیک قرار گیرند.

در مجموع، نتایج حاصل از این تحقیق هم نشان داد میانگین سه صفت وزن پیله و وزن قشرپیله و در صد قشرپیله در دو جنس نر و ماده با هم اختلاف معنی داری دارند و جنس ماده نسبت به نر در دو صفت وزن پیله و وزن قشرپیله مقدار بالاتری را به خود اختصاص داده است. به نظر می‌رسد خصوصیات فوق به شدت تحت تأثیر عوامل محیطی قرار گرفته و انتظار می‌رود از تنوع ژنتیکی و وراثت‌پذیری پایینی برخوردار باشند و بخش عمده‌ای از واریانس ژنتیکی خصوصیات پیله را اثرات ژنتیکی غیر افزایشی تشکیل می‌دهد و خصوصیات پیله از مهمترین صفات اقتصادی کرم ابریشم بوده و به دلیل وراثت‌پذیری زیاد کارایی انتخاب مستقیم روی آنها بسیار بالا میباشد و روند ژنتیکی بهبود میانگین صفات پیله به خصوص برای وزن قشرپیله مثبت و معنی دار است. همچنین نتایج حاصل نشان داد که اختلاف میانگین کلیه لاین‌ها (۳۱، ۱۰۳ و ۱۰۷) از نظر سه صفت وزن پیله، وزن قشرپیله و در صد قشر پیله معنی دار بوده و اثر ثابت لاین و نسل و جنس نیز بر روی این سه صفت معنی دار است که نشان از تفاوت ژنتیکی لاینهای تجاری کرم ابریشم دارد و به این دلیل لاینهای دارای ظرفیت ژنتیکی بالا جهت استفاده در برنامه‌های بهزادی ضروری می‌باشد.

در مجموع با توجه به نتایج آزمایش فوق، استفاده از لاینهای ۳۱ و ۱۰۳ با تأکید بر افزایش وزن جنس نر و نیز کنترل شرایط محیطی به صورتی که مانع از اعمال شرایط نامطلوب محیطی گردد توصیه می‌شود.

جدول شماره ۱ - خلاصه تجزیه واریانس اثر ثابت لاین، نسل و جنس در سه لاین مورد مطالعه

صفات	وزن پله	وزن پله	درصد قشر پله	وزن قشر پله						اثرات ثابت
				جنس	نسل	لاین	جنس	نسل	لاین	
مجموع مربعات	۶۴۰/۶۲	۱۳۹/۴۰	۹۵۲/۱۳۵	۰۲۹/۲۱۷۵	۲۰/۱۰	۷۰۴/۲	۱۷۴/۴	۷۶۵/۹۴	۲۸۷/۱۱۷۸۰	۲۸۷/۱۱۷۸۰
میانگین مربعات	۰۶۹/۲۰	۳۲۰/۳۱	۵۱۴/۱۰۸۷	۲۰/۱۰	۳۵۲/۱	۰۸۷/۲	۷۶۵/۹۴	۷۶۵/۹۴	۹۷۶/۶۷	۲۸۷/۱۱۷۸۰
آماره F	۵۵/۸۹۸۰ ^{**}	۲۶/۱۴۰۲۰ ^{**}	۱۴/۳۶۴۰ ^{**}	۳۴/۱۴۲۰ ^{**}	۶۸۰/۹۵۶۰ ^{**}	۵۵/۱۴۷۶۰ ^{**}	۸۰۰/۴۲۴۲ ^{**}	۲۶/۱۴۰۲۰ ^{**}	۷۶۰/۲۲ ^{**}	۴۶۰/۳۹۴۷ ^{**}
ضریب تبیین	۰/۷۱۰	۰/۵۸۰	۰/۵۶۰							
ضریب تغییرات	۹/۷۰۴	۱۱/۲۲۲	۷/۸۸۱							
انحراف	۵۴/۱ ± ۲۸/۰	۰/۳۳ ± ۰۶/۰	۲۱/۹۲ ± ۶۳/۲							
معیار ± میانگین	۰/۰									

** معنی دارد سطح ۰/۰

جدول شماره ۲ - مقایسه میانگین، صفات مورد بررسی به تفکیک لاینهای مورد مطالعه

صفات	وزن پله (گرم)			وزن قشر پله (گرم)			درصد قشر پله			میانگین ± میانگین	
	تعداد	انحراف	معیار ± میانگین	تعداد	انحراف	معیار ± میانگین	تعداد	انحراف	معیار ± میانگین		
لاین ۳۱	۶۰/۱ ^a ± ۲۸/۰	۱۲/۲۲ ^b ± ۴۷/۲	۱۱۵۴	۰/۳۵ ^a ± ۰۵/۰	۱۱۵۴	۰/۳۵ ^a ± ۰۵/۰	۱۱۵۴	۰/۳۵ ^a ± ۰۵/۰	۱۱۵۴	۱۱۵۴	
لاین ۱۰۳	۶۲/۱ ^a ± ۲۸/۰	۷۶/۲۲ ^a ± ۷۵/۲	۱۲۰۰	۰/۳۶ ^a ± ۰۵/۰	۱۲۰۰	۰/۳۶ ^a ± ۰۵/۰	۱۲۰۰	۰/۳۶ ^a ± ۰۵/۰	۱۲۰۰	۱۲۰۰	
لاین ۱۰۷	۳۹/۱ ^b ± ۲۱/۰	۹۰/۲۰ ^c ± ۳۱/۲	۱۲۱۹	۲۸/۰ ^b ± ۰۳/۰	۱۲۱۹	۲۸/۰ ^b ± ۰۳/۰	۱۲۱۹	۲۸/۰ ^b ± ۰۳/۰	۱۲۱۹	۱۲۱۹	

حروف غیر مشابه در هر ستون نشانه وجود تفاوت معنی دار ($P < 0/05$) است.

جدول شماره ۳ - مقایسه میانگین صفات مورد بررسی به تفکیک نسلهای مورد مطالعه

صفات	میانگین وزن پله (گرم)			میانگین وزن قشر پله (گرم)			میانگین درصد قشر پله			میانگین ± میانگین
	نسل ۱	نسل ۲	نسل ۳	نسل ۱	نسل ۲	نسل ۳	نسل ۱	نسل ۲	نسل ۳	
نسل ۱	۱/۶۱۸ ^b	۰/۳۵۵ ^a	۰/۳۵۵ ^a	۲۲/۱۰۰ ^a	۲۱/۶۵۱ ^b	۲۲/۰۲۰ ^a	۰/۳۴۲ ^b	۰/۳۵۳ ^a	۰/۲۹۶ ^b	۱/۳۵۴ ^c
نسل ۲	۰/۶۴۸ ^a	۱/۶۴۸ ^a	۱/۶۱۸ ^b							
نسل ۳	۰/۳۵۴ ^c	۱/۳۵۴ ^c	۱/۳۵۴ ^c							

حروف غیر مشابه در هر ستون نشانه وجود تفاوت معنی دار ($P < 0/05$) است.

جدول شماره ۴ - مقایسه میانگین صفات مورد بررسی به تفکیک جنسهای مورد مطالعه

جنسيات	میانگین وزن پله (گرم)			میانگین وزن قشر پله (گرم)			میانگین درصد قشر پله			میانگین ± میانگین
	جنیس ماده	جنیس نر	جنیس نر	جنیس ماده	جنیس نر	جنیس نر	جنیس ماده	جنیس نر	جنیس نر	
جنیس ماده	۱/۷۰۳ ^a	۱/۴۷۷ ^b	۰/۳۴۲ ^b	۰/۳۵۷ ^a	۰/۳۴۲ ^b	۰/۳۵۷ ^a	۰/۳۴۲ ^b	۰/۳۵۷ ^a	۰/۳۴۲ ^b	۰/۱۰۱ ^b
جنیس نر	۰/۳۴۲ ^b	۰/۳۵۷ ^a	۰/۳۴۲ ^b	۰/۳۵۷ ^a	۰/۳۴۲ ^b	۰/۳۴۲ ^b	۰/۳۴۲ ^b	۰/۳۵۷ ^a	۰/۳۴۲ ^b	۰/۷۳۴ ^a

حروف غیر مشابه در هر ستون نشانه وجود تفاوت معنی دار ($P < 0/05$) است.

بررسی اثرات جنس، نسل و گروه ژنتیکی بر صفات اقتصادی پیله در سه لاین تجاری کرم ابریشم ایران

جدول شماره ۵- خلاصه تجزیه واریانس اثر ثابت نسل و جنس به تفکیک لاینهای مورد مطالعه

درصد قشر پیله		وزن قشر پیله		وزن پیله		صفات	
جنس	نسل	جنس	نسل	جنس	نسل	اثرات ثابت	
۸۸۸/۳۲۲۰	۷۲۸/۱۳۸	۱۰۹/۰	۵۶۳/۱	۹۵۴/۳۱	۰۲۱/۳۳	مجموع مربعات	
۸۸۸/۳۲۲۰	۳۶۴/۶۹	۱۰۹/۰	۷۸۱/۰	۹۵۴/۳۱	۵۱۰/۱۶	میانگین مربعات	
۵۰۰/۱۰۰۸ **	۷۲۰/۲۱ **	۲۸۰/۰۷ **	۶۵۰/۶۲۳ **	۸۲۰/۴۶۹/۱ **	۴۶۰/۷۵۹ **	آماره F	۰/۰۷۲
۰/۴۷۷			۰/۵۳۷		۰/۷۲۰	ضریب تبیین	
۸/۰۷۵			۱۰/۰۷۳		۹/۱۸۹	ضریب تغییرات	
۲۲/۱۲۸			۰/۳۵۱		۱/۶۰۴	میانگین	
۸۹۵/۴۹۹۳	۳۸۲/۱۳	۰۲۷/۰	۳۵۰/۱	۶۷۰/۳۳	۳۴۴/۲۸	مجموع مربعات	
۸۹۵/۴۹۹۳	۶۹۱/۶	۰۲۷/۰	۶۷۵/۰	۶۷۰/۳۳	۱۷۲/۱۴	میانگین مربعات	
۸۸۰/۱۴۷۶ *	۹۸۰/۱ ns	۹۷۰/۱۵ **	۶۶۰/۳۸۹ **	۹۱۰/۱۲۶۴ **	۴۳۰/۵۳۲ **	آماره F	۰/۰۷۲
۰/۵۵۰			۰/۴۰۰		۰/۶۶۰	ضریب تبیین	
۸/۰۷۶			۱۱/۳۵۳		۱۰/۰۲۶	ضریب تغییرات	
۲۲/۷۶۹			۰/۳۶۶		۱/۶۲۷	میانگین	
۳۱۶/۳۷۴۷	۵۵۵/۴۴	۶۲۵/۰	۲۶۳/۰	۲۰۰/۲۸	۵۹۶/۸	مجموع مربعات	
۳۱۶/۳۷۴۷	۲۷۷/۲۲	۶۲۵/۰	۱۳۱/۰	۲۰۰/۲۸	۲۹۸/۴	میانگین مربعات	
۷۰۰/۱۶۸۴ **	۰۲۰/۱۰ **	۹۸۰/۷۱ **	۸۵۰/۱۵۱ **	۸۸۰/۲۰۸۲ **	۴۷۰/۳۱۷ **	آماره F	۰/۰۷۲
۰/۵۸۰			۰/۲۳۶		۰/۷۰۰	ضریب تبیین	
۷/۱۳۴			۱۰/۲۲۶		۸/۳۵۰	ضریب تغییرات	
۲۰/۹۰۳			۰/۲۸۸		۱/۳۹۳	میانگین	

* معنی دارد سطح ۰/۱۰، ** معنی دارد سطح ۰/۰۵، ns غیر معنی دار

جدول شماره ۶- مقایسه میانگین صفات مورد بررسی بین نسلها به تفکیک لاینهای مورد مطالعه

۱۰۷				۱۰۳				۳۱				لاین	
درصد قشر	وزن قشر	وزن پیله	(گرم)	درصد قشر	وزن قشر	وزن پیله	(گرم)	درصد قشر	وزن قشر	وزن پیله	(گرم)		صفات
پیله	پیله	پیله	(گرم)	پیله	پیله	پیله	(گرم)	پیله	پیله	پیله	(گرم)		
۸۶۱/۲۰ b	۳۰۰/۰ a	۴۵۵/۱ a	۹۰۶/۲۲ a	۳۸۱/۰ b	۶۸۰/۱ b	۵۲۲/۲۲ a	۳۸۳/۰ a	۷۱۸/۱ a		۱			نسل
۷۰۰/۲۰ b	۲۹۶/۰ a	۴۴۸/۱ a	۶۴۸/۲۲ a	۳۹۸/۰ a	۷۸۳/۱ a	۶۶۴/۲۱ c	۰/۳۷۱ b	۷۳۷/۱ a		۲			نسل
۱۶۰/۲۱ a	۲۶۷/۰ b	۲۷۳/۱ b	۲۲/۷۵۲ a	۳۲۰/۰ c	۴۱۸/۱ c	۱۴۶/۲۲ b	۰/۳۰۱ c	۱/۳۷۲ b		۳			نسل

حروف غیر مشابه در هر ستون نشانه وجود تفاوت معنی دار ($P < 0.05$) است.

جدول شماره ۷ - مقایسه میانگین صفات مورد بررسی بین جنس‌ها به تفکیک لاين‌های مورد مطالعه

۱۰۷		۱۰۳		۳۱		لاين		
درصد قشر پiele	وزن قشر پiele (گرم)	درصد قشر پiele	وزن قشر پiele (گرم)	درصد قشر پiele	وزن قشر پiele (گرم)	درصد قشر پiele	وزن قشر پiele (گرم)	صفات
۱۱۹/۱۹ ^b	۲۹۵/۰ ^a	۵۴۸/۱ ^a	۷۲۹/۲۰ ^b	۳۷۱/۰ ^a	۷۹۴/۱ ^a	۴۶۶/۲۰ ^a	۳۶۱/۰ ^a	جنس ماده
۶۲۶/۲۲ ^a	۲۸۱/۰ ^b	۲۴۳/۱ ^b	۸۰۹/۲۴ ^a	۳۶۱/۰ ^b	۴۵۹/۱ ^b	۸۰۸/۲۴ ^b	۰/۳۴۱ ^b	جنس نر

حروف غیر مشابه در هرستون نشانه وجود تفاوت معنی دار ($P < 0.05$) است.

منابع

۱. بیژن‌نیا، ع. ر. و صیداوی، ع. ر. ۱۳۸۷. اصول و روش‌های اصلاح‌نژاد کرم ابریشم (تألیف لی، ه، ز). انتشارات حقوق‌شناس. ۱۵۰ صفحه.
۲. صیداوی، ع. ر. م. غلامی، م. بیبانی. ۱۳۸۲. بررسی میزان مقاومت لاینهای کرم ابریشم به عامل بیماری موسکاردین سفید، مجله علوم کشاورزی ایران، جلد ۳۴ (۳): صفحات ۷۰۱-۷۱۰.
۳. صیداوی، ع. ر.، میرحسینی، س. ض.، بیژن‌نیا، ع. ر. و غنی‌پور، م. ۱۳۸۶. بررسی تأثیر انتخاب برخی صفات کمی پیله در سطوح گله دودمان (P³) و همبستگی آن با پارامترهای تولیدمثلی و مقاومت گله‌های هیرید(F1) کرم ابریشم نسبت به بیماری‌ها. مجله زیست‌شناسی ایران. جلد ۲۰، شماره ۳، صفحات ۲۶۲-۲۶۸.
4. Berbatzky, R., S.D. Tanksley. 1989. Restriction fragments asmolecular markers for germplasm evaluation and utilization. In TheUse of Plant Genetic Resources, A.H.D. Brown, O.H. Frankel, D.R.Marshel, and J.T. Williams. (New York: Cambridge University Press) pp. 353-362.
5. Chen. K.P., C.Q. Lin, Q. Yao. 1996. Studies on the resistance and heredity ol silkworms tonuclear polyhedrosis virus disease. *Acta Scricologia Sinica*. 22: 160-164.
6. Cripps, R.M., E. Ball, M. Stark, A. Lawn, J.C. Sparrow. 1994. Recovery of dominant,autosomal flightless mutants of *Drosophila melanogaster* and identificationof a new gene required for normal muscle structure and function. *Genetics*. 137: 151-164.
7. Dayanandhan, S., K.S. Bawa, R. Kesseli. 1997. Conservation of microsatellite among tropical trees (leguminosae). *American Journal of Botanty*. 84: 1658-1663.
8. Gabierslsen, T.M., C. Brochmann. 1998. Sex after all: High levels of diversity detected in theatric clonally plant saxifrage cernua using RAPD markers. *Molecular Ecology*. 10: 1701-1708.
9. Greiss, H., N. Petkov, K. Boychev, G. Dimov, Z. Petkov. 2004. Comparison of in-between individuals multi-trait selection methods. *Sericologia*. 44: 45-54.
10. Hayashi, C.Y., N.H. Shipley, R.V. Lewis. 1999. Hypotheses that correlate the sequence, structure, and mechanicalproperties of spider silk proteins. *Intrrnational Journal of Biological Macromolecules*. 24(23): 271-275.
11. Jayaswal, K.P., S. Masilamani, V. Lakshman, S.S. Singdagi. 2000. Genetic variation, correlation and path analysis inmulberry silkworm, *Bombyx mori* L. *Sericologia*. 40: 211-223.
12. Li, W. 1992. Genetic path network among quantitative characters in-silkworm. *Sericologia*. 32:

543-548.

13. Miao, X.X., S.J. Xu, M.H. Li, M.W. Li, J.H. Huang, F.Y. Dai, S.W. Marino, D.R. Mills, P.Y. Zheng, K. Mita, S.H. Jia, Y. Zhang, W.B. Liu, H. Xiang, Q.H. Guo, A.Y. Xu, X.Y. Kong, H.X. Lin, Y.Z. Shi, G. Lu, X. Zhang, W. Huang, Y. Yasukochi, T. Sugasaki, T. Shimada, J. Nagaraju, Z.H. Xiang, S.Y. Wang, M.R. Goldsmith, C. Lu, G.P. Zhao, Y.P. Huang. 2005. Simple sequence repeat-based consensus linkage map of *Bombyx mori*. Proceeding of Natural Academy of Science. USA. 102: 16303-16308.
14. Nacheva, I. 1989. Cori-ulationii analysis relating to eggmass. cocoon, silk shell and pupalweight and silkness of the cocoon tor 2 Olithred population of silkworm developed in Bulgaria. Genelica. iSelectsiya. (22): 339-345.
15. Nagaraju, J., M. Kathirvel, M. Muthulakshmi, E.V. Subbiah, L.D. Kumar. 2002. FISSR-PCR: a simple and sensitive assay for hightthroughput genotyping and genetic mapping. Mol.Cell. Probes. 16: 67-72.
16. Nagaraju, J. 1998. Silkworm Breeding (ed. Reddy, G. S.), Oxford,New Delhi,. pp. 168-185.
17. Sekharappa, B.M., P.G. Radhakrishna, K.S. Keshavareddy, S.B. Dandin. 1999. Breeding of bivoltine silkwormraces with better survival and high silk content for tropics-Karnataka. Sericologia. 39: 205-210.
18. Sing. T., C. Chandrasekharaiah, M.V. Samson. 1998: Correlation and heritability analysis insilkworm, Efombyx inori. Sericologia Journal. 32: 269-277.
19. Traut, W., K. Sahara, T.D. Otto, F. Marec. 1999. Molecular differentiation of sex chromosome probed by comparative genomic hybridisation. Chromosoma. 108: 173-180.
20. Tsumura, Y., N. Tomaru, Y. Suyama, S. Bacchus. 1999. Genetic diversity and differentiation ofTaxodium in the south-eastern United Statesusing cleaved amplified polymorphic sequences. Heredity. 83: 229-238.
21. Vos, P., R. Hogers, M. Bleeker, M. Reijans, T. van de Lee, M. Hornes, A. Frijters, J. Pot, J. Peleman, M. Kuiper, M. Zabeau. 1995. AFLP: A new technique for DNA fingerprinting. Nucleic Acids Researches. 23: 4407-4414.
22. Williams, J.G.K., M.K. Hanafey, J.A. Rafalski, S.V. Tingey. 1990. DNA polymorphisms

-
- amplified by arbitrary primers are useful as genetic markers. Nucleic Acids Res. 18: 6531–6535.
23. Wolfe, A.D., Q.Y. Xiang, S.R. Kephart. 1998. Assessing hybridization in natural populations of *Penstemon* (Scrophulariaceae) using hypervariable inter-simple sequence repeat markers. Molecular Ecology. 7: 1107-1125.
24. Zietkiewicz, E., A. Rafalski, D. Labuda. 1994. Genome - fingerprinting by simple sequence repeat (SSR) anchored polymerase chain reaction amplification. Genomics. 20: 176-183.

Investigation of sex, generation and genetic group on economic traits of three Iranian commercial silkworm pure lines

S.darmand¹ and A.R.Seidavi^{2*}

Received Date: 19/02/2015

Accepted Date: 02/05/2015

Abstract

Identification and evaluation of gilkworm genetic stocks of each country and their potential have large importace. Due to lack of sufficient information about the three commercial silkworm pure lines of 31, 103 and 107 under Iranian conition, these experiments was conducted aimed to assess the effects of gender, generation and line on cocoon economical traits. Phenotypic data related to three generations in the years 2001, 2002 and 2003 for these three lines collected from Iran Silkworm Research Center (ISRC). The used data included eight families \times 3 \times generations \times 3 pure lines \times 3 traits \times 2 gender \times 25 individuals (equals to 10,800 records). Mean comparisons were conducted foe each line, generation and gender in total and each pure line separately. Fixed effects of pure line, generation and gender were significant in level 0.01 for cocoon weight, cocoon shell weight and cocoon shell percentage ($P<0.01$). Trait average of three pure lines were statistically significant difference ($P<0.05$); so that the average of cocoon weight and shell cocoon weight for pure line of 31 (1.60 ± 0.28 gram and 0.35 ± 0.05 gram) and pure line of 103 (1.62 ± 0.28 gram and 0.36 ± 0.05 grams) were more than pure line of 107 (1.39 ± 0.21 gram and 0.28 ± 0.03 grams), but shell cocoon percentage mean in pure line of 103 (22.76 ± 2.75) was more compared to the other pure lines. This trait for pure line of 107was less then other pure lines (20.90 ± 2.31). In total pure lines of 31 and 103 had most quantitative traits pure line of 107 had less quantitative traits. Generation effect on differences between the cocoon weight, cocoon shell weight and cocoon shell percentage was significant ($P<0.05$). Second generation in comparison to other generations had more cocoon weight (1.648 gram) and cocoon shell weight (0.353 gram), but the average of cocoon shell parcentage (21.651) was minimum compared previous and next generations ($P<0.05$). Also cocoon weight, cocoon shell weight and cocoon shell percentage were significantly different in two gender of female and male. Cocoon weight

1- Animal Science Department, Islamic Azad University, Karaj Branch, Karaj, Iran.

2- Animal Science Department, Islamic Azad University, Rasht Branch, Rasht, Iran.

*Coresponding author: (alirezaseidavi@iaurasht.ac.ir)

and cocoon shell weight of female individuals were higher than male individuals ($P<0.05$).

Keywords: Generation, Genus, *Bombyx mori*, Trait, Performance