



# تعیین مهم‌ترین ویژگی‌های کمی و کیفی متمایز‌کننده سرده *Rubus* L. در ایران با استفاده از الگوریتم‌های دسته‌بندی و انتخاب ویژگی

محمدجواد شیخزاده\*

دانشکده علوم پایه و فنی مهندسی، دانشگاه گنبد کاووس، گنبد کاووس، ایران

\* Email: sheikhzadeh@gonbad.ac.ir

تاریخ پذیرش: ۹۷/۰۴/۲۰

تاریخ دریافت: ۹۷/۰۱/۰۷

## چکیده

جنس سرده *Rubus* L. متعلق به تیره Rosaceae و زیرتیره Rosoideae شامل حدود ۷۵۰ گونه در دنیا است. این جنس در اکثر نواحی جهان پراکنش دارد. در فلور ایران تعداد هشت گونه و پنج هیبرید (دو رگه) گزارش شده است. تمشك یکی از پر چالش‌ترین جنس‌ها در بین گیاهان گل‌دار می‌باشد. وجود عواملی از جمله پلی‌پلوفیدی، آپومیکسی و دورگه‌گیری زیاد در این جنس باعث مشکلاتی در تشخیص از نظر ریخت شناسی شده است. جمع آوری داده‌های کمی و کیفی جهت تشخیص گونه‌ها و روش‌های جمع‌آوری مولفه‌های ریخت شناسی بسیار زمانبر و پرهزینه است. بنابراین، بکارگیری روش‌های متفاوت در جهت کاهش زمان و هزینه‌ها همواره مطرح می‌باشد. در بسیاری از موارد، جهت آنالیز داده‌های زیستی روش‌های داده کاوی بکار گرفته می‌شود. در این مقاله، از ترکیب الگوریتم‌های مختلف انتخاب ویژگی و دسته‌بندی برای تشخیص ویژگی‌های متمایز‌کننده بین گونه‌های سرده *Rubus* استفاده شد. با بکارگیری روش دسته‌بندی Random Forest و مدل انتخاب ویژگی InfoGainAttributeEval با تعداد ۲۸ ویژگی به دقت ۹۴/۰۵ درصد در دسته‌بندی رسیدیم که بهترین الگوریتم از نظر دقت می‌باشد و با استفاده از روش MLP و مدل انتخاب ویژگی SymmetricalAttributeEval، با تعداد ۴ ویژگی دقت دسته‌بندی ۸۴/۳۲ درصد حاصل شد که بهترین الگوریتم از نظر تعداد اندک ویژگی‌های انتخاب شده است. چهار ویژگی فوق توسط اکثر الگوریتم‌های استفاده شده در این مقاله انتخاب شدند. تمامی این ویژگی‌ها کیفی هستند و جهت بدست آوردن آنها نیازی به هزینه اندازه‌گیری آزمایشگاهی نمی‌باشد. بنابراین می‌توانند معیار مناسبی جهت کلید شناسایی باشند.

**کلیدواژه‌ها:** الگوریتم، داده کاوی، ریخت شناسی، کلید شناسایی.

است [۱۶، ۲۲، ۲۹، ۳۱] که در اکثر نواحی جهان به جز

ناحیه قطب جنوب پراکنش دارد [۹، ۱۰، ۱۱، ۱۶]. این تاکسون از جنبه اقتصادی و بوم‌شناسی حائز اهمیت

**مقدمه**

جنس تمشك متعلق به تیره Rosaceae و زیرتیره Rosoideae می‌باشد و شامل حدود ۷۵۰ گونه در دنیا

زمان صرف شده برای استخراج و همچنین ارزیابی آنها کاهش می‌یابد. وجود داده‌های بزرگ در برخی از مسائل که ارزیابی و تحلیل آنها سخت، پرهزینه و زمان‌بر است و دقت پایین الگوریتم‌ها باعث می‌شود تا همچنان پیدا کردن الگوریتمی که بتواند به طوری کارآمد ویژگی‌های تفکیک کننده را مشخص کرده و با استفاده از آنها نمونه‌ها را دسته‌بندی کند حائز اهمیت باشد [۳۳، ۳۴].

هدف از این پژوهش، معرفی روشی بهینه برای تشخیص مهم‌ترین ویژگی‌های متمایزکننده و همچنین دسته‌بندی گونه‌های مختلف سرده تمشک در ایران است. طوری که با استفاده از تعدادی کمتر از ویژگی‌ها با دقت بیشتری نمونه‌ها را دسته‌بندی کرد. در بسیاری از موارد، جهت آنالیز داده‌های زیستی (از جمله مطالعات آناتومی و ریخت‌شناسی) روش‌های داده کاوی بکار گرفته می‌شود. بنابراین در این مقاله، از ترکیب الگوریتم‌های مختلف انتخاب ویژگی و دسته‌بندی برای تشخیص ویژگی‌های متمایزکننده بین گونه‌های سرده *Rubus L.* استفاده می‌شود.

## مواد و روش‌ها

در این مقاله، به منظور انجام مطالعات ریخت‌شناسی روی جمعیت‌های مختلف گونه‌های *R. caesius* معرفی شده سرده *Rubus* در ایران (شامل *R. hirtus*, *R. dolichocarpus*, *R. discolor*, *R. persicus*, *R. hyrcanus* و *R. sanctus*) از مناطق مختلف شمال ایران از سه استان گیلان، مازندران و گلستان نمونه‌هایی مطابق (جدول ۱) جمع‌آوری گردید. به این ترتیب در این پژوهش از ۵۷۸۱ داده خام حاصل از تعداد ۴۶ ویژگی کیفی و کمی استفاده شده است، که این ویژگی‌ها در (جدول ۲ و ۳) ارائه

است، چون دارای میوه‌های خوراکی و گیاهانی با ارزش تزئینی هستند. این جنس به واسطه داشتن فرم رویشی درختچه‌ای و رونده، ساقه خاردار و میوه خوراکی از نوع شفت مجتمع متشکل از شفتچه‌هایی کوچک به آسانی قابل تشخیص است. اگرچه تشخیص گونه‌های آن به واسطه تنوع ریخت‌شناسی در جمعیت‌های گونه بسیار مشکل است. این جنس در ۱۲ زیرجنس طبقه‌بندی می‌شود [۹-۱۱]. بزرگترین زیرجنس آن *Rubus* با ۶ بخش و ۱۳۲ گونه می‌باشد و کوچکترین زیرجنس آن *Chamaemorus* با یک گونه می‌باشد. زیرجنس *Rubus* شامل گونه‌هایی هستند که در اروپا، آسیا و آمریکای شمالی یافت می‌شوند [۳]. خاتمه‌ساز هشت گونه و پنج هیبرید (دورگه) را از ایران نام برده است [۲۰]، که به دو زیرجنس *R. saxatilis* و *Cylactis* تعلق دارد. *R. saxatilis* به عنوان *R. discolor*, *R. caesius* و ۷ گونه *Cylactis*, *R. hyrcanus*, *R. hirtus*, *R. dolichocarpus*, *R. sanctus* و *R. persicus* متعلق به زیرجنس *R. persicus* می‌باشد. تمشک یکی از پرچالش‌ترین جنس‌ها در بین گیاهان گل‌دار است [۱۱، ۲۷، ۲۹] که این چالش‌ها به خاطر وجود عوامل بیولوژیکی از جمله پای‌پلوئیدی، آپومیکسی و دورگه‌گیری زیاد بین گونه‌های یک زیرجنس یا گونه‌های زیرجنس‌های مختلف بوده و به نظر می‌رسد استفاده از ریخت‌شناسی ظاهری به تنها یی در روشن شدن وضعیت رده‌بندی این جنس کارایی نداشته باشد [۱۳، ۳۲]. از سوی دیگر، استخراج ویژگی‌های کمی و کیفی یک گیاه کاری بسیار زمانبر و پرهزینه است. از طرفی، بسیاری از آنها یا بلااستفاده هستند و یا اینکه بار اطلاعاتی چندانی ندارند. از این رو هرچه تعداد این ویژگی‌ها کمتر باشد، هزینه و

گردیده است. ویژگی‌ها کدگذاری شده و بر اساس [۱۸] است. تعداد نمونه‌ها، میانگین و واریانس محاسبه گردیده

جدول ۱- نمونه‌های جمع‌آوری شده در سه استان مورد مطالعه [۱۸]

ردیف	گونه	محل جمع‌آوری	ارتفاع (متر)	جمع آوری کننده	مشخصات هرباریومی
۱	<i>R. caesius</i> L	مازندران، رامسر، قاسم آباد سفلی	۵۰	کسلخه، حبیبی	-803012 GKUH
۲	<i>R. caesius</i> L	گلستان، بندر گز، گز غربی	۹۵	کسلخه، حبیبی	-803025 GKUH
۳	<i>R. discolor</i> Weihe and Nees.	گیلان، جاده آستارا به اردبیل، گردنه حیران	۵۰۰	کسلخه، مهدی‌یانی	-803055 GKUH
۴	<i>R. dolichocarpus</i> Jaz.	گلستان، پارک ملی گلستان	۵۰۰	کسلخه، مهدی‌یانی	803120-GKUH
۵	<i>R. hirtus</i> Waldst and kit	مازندران، جنگل سنگده	۱۳۶۰	کسلخه، مهدی‌یانی	-803135 GKUH
۶	<i>R. hyrcanus</i> Juz.	گیلان، جاده اسلام به خلخال	۱۰۳۰	کسلخه، حبیبی	-803146 GKUH
۷	<i>R. persicus</i> Boiss	گلستان، جنگل امام رضا (ع) کردکوی	۲۵۰	مهدی‌یانی	-803150 GKUH
۸	<i>R. sanctus</i> Schreber	گیلان، جیرنده، روستای بی‌ورزین، نزدیک زیارتگاه	۱۰۴۰	کسلخه، حبیبی	-803235 GKUH

جدول ۲- لیست ویژگی‌های کیفی سرده *Rubus* و کد گذاری آنها در مطالعات ریخت‌شناسی [۱۸]

ردیف	ویژگی‌ها	شرح	انحراف معیار	واریانس
۱	فرم رویشی	بوته‌ای (۰)، درختچه‌ای (۱)	۰/۳۷۵۰	۰/۸۳۰۶
۲	فرم ساقه	خوابیده (۰)، خمیده (۱)، افراشته (۲)، بالارونده (۳)	۰/۷۶۴۵	۱/۴۳۵۴
۳	شکل شاخه گل‌دهنده	گرد (۰)، تا حدودی زاویه‌دار (۱)، زاویه‌دار (۲)	۰/۷۶۳۸	۱/۴۲۷۴
۴	شکل خار شاخه گل‌دهنده	مستقیم کوتاه (۰)، خمیده کوچک (۱)، خمیده درشت (۲)، سوزنی (۳)، خمیده سوزنی (۴)، خمیده و مستقیم (۵)	۱/۳۰۲۰	۲/۲۶۶۱
۵	حضور کرک در شاخه گل‌دهنده	بدون کرک (۰)، تا حدودی کرک‌دار (۱)، کرک‌دار (۲)	۰/۳۵۲۲	۱/۸۵۴۸
۶	نوع کرک در شاخه گل‌دهنده	تار (۰)، ستاره (۱)، تار و ستاره (۲)، نمدی (۳)	۰/۵۴۶۲	۲/۵
۷	حضور غده پایکدار در شاخه	حضور غده پایکدار (۰)، عدم حضور غده (۱)، حضور غده بدون پایک (۲)	۰/۳۷۴۴	۰/۸۵۴۸
۸	شکل برگچه جانبی	تخم مرغی (۰)، واژتخم مرغی (۱)، بیضوی (۲)، بیضوی پهن (۳)، لوزی (۴)، دایره‌ای (۵)، تخم مرغی-بیضوی (۶)، واژتخم مرغی-بیضوی (۷)	۲/۷۹۳۹	۳/۹۸۳۸
۹	شکل برگچه انتهایی	تخم مرغی (۰)، واژتخم مرغی (۱)، بیضوی (۲)، لوزی (۳)، بیضوی پهن با عرض بیش از ۲.۵ برابر طول (۴)، دایره‌ای (۵)	۱/۲۶۵۴	۱/۷۸۶۲
۱۰	نوك برگچه جانبی	بدون نوك (۰)، تیز یا کمی کشیده (۱)، دمدار (۲)، نوك کند (۳)	۰/۸۳۷۳	۱/۳۷۰۹
۱۱	نوك برگچه انتهایی	بدون نوك (۰)، تیز یا کمی کشیده (۱)، دمدار (۲)، نوك کند (۳)	۰/۸۴۴۰	۱/۴۲۷۴

ردیف	ویژگی‌ها	شرح	انحراف معیار	واریانس
۱۲	قاعده برگچه جانبی	قلبی (۰)، دایره‌ای (۱)، قلبی - دایره‌ای (۲)	۰/۶۱۲۲	۱/۵۶۴۵
۱۳	قاعده برگچه انتهایی	قلبی (۰)، دایره‌ای (۱)، قلبی - دایره‌ای (۲)	۰/۸۱۶۱	۱/۵۵۶۴
۱۴	رنگ سطح تحتانی برگچه	سبز (۰)، سفید (۱)، تا حدودی سبز (۲)، تا حدودی سفید (۳)	۰/۹۷۷۷	۰/۹۵۹۶
۱۵	پوشش کرک سطح فوقانی برگچه	بدون کرک (۰)، پراکنده (۱)، متوسط (۲)، فشرده (۳)	۰/۷۵۸۵	۱/۱۹۳۵
۱۶	پوشش کرک سطح تحتانی برگچه	بدون کرک (۰)، پراکنده (۱)، متوسط (۲)، فشرده (۳)	۰/۵۹۳۲	۲/۶۰۴۸
۱۷	نوع کرک سطح فوقانی برگچه	بدون کرک (۰)، اکثرا تار (۱)، اکثرا ستاره (۲)، تار و ستاره (۳)، نمدی (۴)	۱/۰۷۳۳	۱/۴۶۷۷
۱۸	نوع کرک سطح تحتانی برگچه	بدون کرک (۰)، اکثرا تار (۱)، اکثرا ستاره (۲)، نمدی (۳)	۰/۰۸۹۴	۲/۹۹۱۹
۱۹	شکل خار دمیرگ	مستقیم کوتاه (۰)، خمیده کوچک (۱)، خمیده درشت (۲)، سوزنی (۳)، خمیده سوزنی (۴)	۰/۹۵۳۴	۱/۱۸۵۴
۲۰	نوع کرک دمیرگ	اکثرا تار (۰)، اکثرا ستاره (۱)، نمدی (۳)، تار و ستاره (۴)	۰/۵۴۱۴	۲/۴۲۷۴
۲۱	وضعیت دمیرگچه جانبی	بدون دمیرگچه (۰)، دارای دمیرگچه با طول بیش از ۲mm (۱)، دمیرگچه خیلی کوتاه با طول کمتر از ۲mm (۲)	۰/۹۴۶۹	۱/۱۲۰۹
۲۲	نوع گل آذین	دیهم (۰)، خوش ساده (۱)، خوش گرزن مرکب (۲)، خوشه مرکب (۳)	۰/۹۳۹۳	۱/۶۱۲۹
۲۳	حضور غده در گل آذین	غده‌دار (۰)، بدون غده (۱)	۰/۴۰۷۰	۰/۷۹۰۳
۲۴	شکل کاسبرگ	تخم مرغی (۰)، مستطیلی (۱)	۰/۹۸۱۲	۰/۸۵۴۸
۲۵	نوک کاسبرگ	بدون نوک تا کمی (۰)، تیز (۱)، سیخکی (۲)	۰/۹۵۰۷	۰/۸۲۲۵
۲۶	نوع کرک کاسبرگ	نمدی (۰)، تار و ستاره (۱)	۰/۴۲۳۲	۰/۲۳۳۸
۲۷	غده پایکدار در کاسبرگ	غده‌دار (۰)، بدون غده (۱)	۰/۴۲۳۲	۰/۷۶۶۱
۲۸	شکل گلبرگ	بیضوی کشیده (۰)، بیضوی واژگون (۱)	۱/۰۷۳۱	۰/۵۴۰۳
۲۹	رنگ گلبرگ	صورتی (۰)، سفید (۱)، سفید - صورتی (۲)	۰/۵۱۳۶	۰/۴۵۱۶
۳۰	رنگ میله	صورتی (۰)، سفید (۱)	۰/۴۷۳۲	۰/۶۶۱۲
۳۱	کرک بساک	بدون کرک (۰)، کرک‌دار (۱)	۰/۴۷۵۹	۰/۳۴۶۷
۳۲	شکل گوشوارک	خطی (۰)، خنجری - نیزه‌ای با عرض کمتر از ۲mm (۱)، نیزه‌ای پهن با عرض بیش از ۲mm (۲)	۰/۶۹۷۸	۰/۶۴۵۱
۳۳	تعداد برگچه	یک (۰)، دو الی بیست (۱)، بیست الی چهل (۲)، چهل الی شصت (۳)	۰/۷۴۹۹	۱/۷۴۱۹

جدول ۳- لیست ویژگی‌های کمی سرده Rubus و کد گذاری آنها در مطالعه ریخت‌شناسی [۱۸]

ردیف	ویژگی‌ها	انحراف معیار	واریانس
۱	طول دمیرگ	۱/۷۸۴۴	۴/۱۲۴۶
۲	طول برگچه انتهایی	۲/۱۵۴۴	۵/۹۸۵
۳	طول برگچه جانبی	۲/۰۰۹	۵/۱۲۹۳
۴	عرض برگچه انتهایی	۱/۳۷۴۱	۴/۰۹۲۱
۵	عرض برگچه جانبی	۱/۰۵۴۵	۳/۱۵۰۵
۶	طول دمیرگچه برگچه انتهایی	۹/۳۵۴۷	۱۴/۶۲۰۹
۷	طول دمیرگچه برگچه جانبی	۲/۳۸۶۱	۲/۰۱۹۵
۸	طول کاسبرگ	۱/۱۴۹۵	۶/۱۸۹۰

ردیف	ویژگی ها	انحراف معیار	واریانس
۹	نسبت طول به عرض کاسبرگ	۰/۴۲۲۳	۲/۱۲۲۰
۱۰	نسبت طول به عرض گلبرگ	۷/۶۳۲۵	۱۲/۳۲۴۵
۱۱	تعداد گل در گل آذین	۱۱/۱۸۳۹	۱۹/۵۰۳۰
۱۲	طول گل آذین	۵/۷۲۰۶	۱۱/۶۴۹۲
۱۳	طول دمگل	۱۰/۴۵۰۷	۱۸/۲۶۶۸

انتخاب شده، از الگوریتم های دسته بندی استفاده می -  
شود.

### الگوریتم های انتخاب ویژگی<sup>۱</sup>

در عصر ارتباطات و اطلاعات، جمع آوری و ذخیره داده ها بسیار آسان و ارزان می باشد. از سوی دیگر، با افزایش اطلاعات قابل خواندن توسط ماشین، امکان درک و استفاده از اطلاعات بطور همزمان بسیار مشکل بود. ماشین یادگیری ابزارهایی را فراهم می کند که می توان داده های بزرگ را بصورت خودکار تجزیه و تحلیل نمود. لذا اساس یادگیری ماشین، انتخاب ویژگی است. در انتخاب ویژگی باید از بین مجموعه ویژگی های مناسب با استفاده از یک روش تفکیک کننده، بر جسته ترین و بهترین ویژگی ها برای یادگیری انتخاب می شود. در روش های مختلف انتخاب ویژگی، زیر مجموعه ای با کمترین تعداد ویژگی ممکن (ویژگی های تاثیرگذار) هدف مورد نظر را پیدا می کند. فرآیند انتخاب ویژگی در تمامی روش ها به بخش های زیر تقسیم بندی می شود (شکل ۱):

۱- روش جستجو (Search Method): تابع تولید کننده زیر مجموعه های کاندید شده را برای روش مورد نظر پیدا می کند.

۲- مدل ارزیابی (Attribute Evaluator): زیر مجموعه کاندید شده را بر اساس روش جستجو ارزیابی

همانگونه که در مقدمه اشاره شد، مساله انتخاب ویژگی، در بسیاری از کاربردها مانند دسته بندی (Classification) اهمیت بسیار زیادی دارد، زیرا در این موارد تعداد زیادی ویژگی وجود دارد، که بسیاری از آنها باز اطلاعاتی چندانی ندارند و یا حتی دقت الگوریتم دسته بندی را کاهش می دهند. بنابراین حذف ویژگی های اضافی نه تنها هزینه جمع آوری داده های کیفی و کمی را کاهش می دهد و باز محاسباتی الگوریتم دسته بندی را پایین می آورد، بلکه ممکن است موجب افزایش دقت دسته بندی شود. جهت کاهش ویژگی های اضافی و دسته بندی آنها، نرم افزاری به زبان جاوا پیاده سازی شد که از کتابخانه Weka (نسخه ۳/۸) بهره می برد که دارای امکانات بسیار گسترده جهت داده کاوی (همانند انواع الگوریتم های رگرسیون، کاوش قواعد انجمنی، انتخاب ویژگی، خوش بندی و دسته بندی داده ها)، امکان مقایسه خروجی روش های مختلف با هم، راهنمای خوب، واسط گرافیکی کارا و سازگاری با سایر برنامه ها است [۱۷]. این سیستم به زبان جاوا نوشته شده و بر اساس لیسانس عمومی و فرآگیر در پایگاه [۲۳] انتشار یافته است. در نرم افزار پیاده سازی شده، داده ها با استفاده از تعدادی از الگوریتم های انتخاب ویژگی واکاوی شده و هر الگوریتم تعدادی ویژگی را از بین ۴۶ ویژگی اولیه انتخاب می کند. سپس برای ارزیابی کارایی ویژگی های

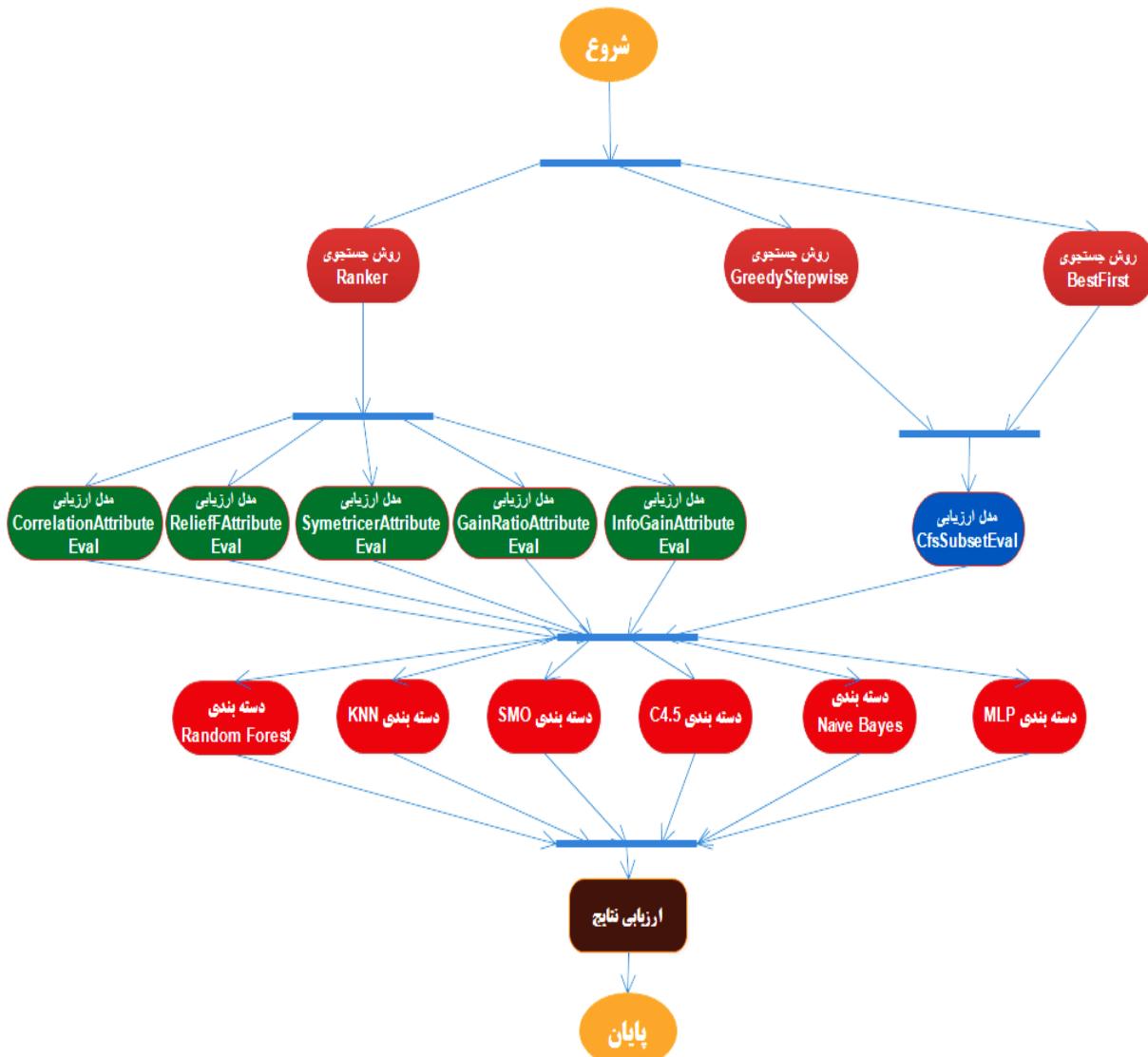
<sup>۱</sup> Feature Selection Algorithms

ویژگی نیست، اما در عمل باید یک زیرمجموعه ویژگی را در شرایط مختلف امتحان نمود تا شرایط مورد نیاز برای حل مساله موردنظر احراز شود [۷].

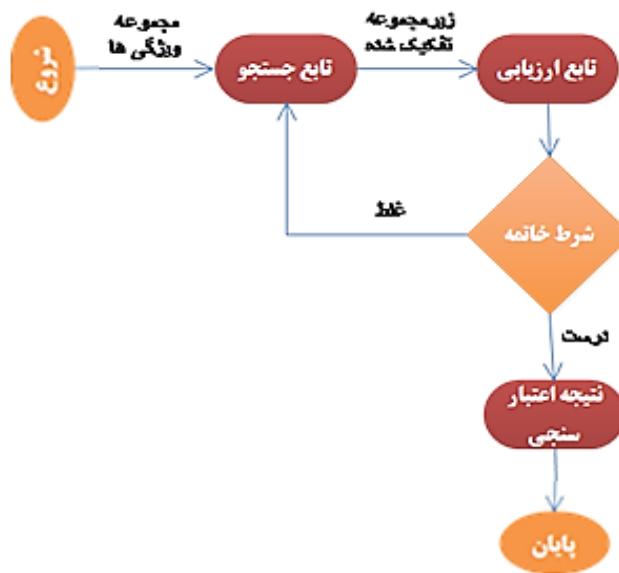
در بخش انتخاب ویژگی کتابخانه weka سه نوع روش جستجو وجود دارد که شامل Bestfirst، GeridyStepwise و Ranker می‌باشد. این کتابخانه شامل مدل‌های ارزیابی مختلف است که در این تحقیق مطابق (شکل ۱) از مدل‌های InfoGainAttributeEval، CorrelationAttributeEval، SymetricalAttributeEval، ReliefFAttributeEval و GainRatioAttributeEval استفاده شده است [۲۳، ۲۴].

کرده و یک عدد به عنوان میزان مزیت روش باز می‌گرداند. روش‌های مختلف تلاش می‌کنند تا زیرمجموعه‌ای را پیدا کنند که این مقدار را بهینه کنند.

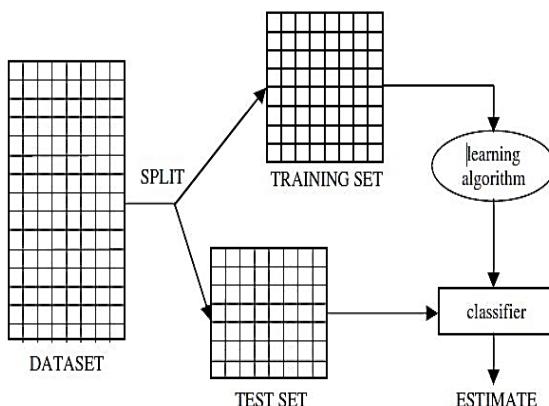
-۳- شرط خاتمه: برای تصمیم‌گیری در مورد زمان توقف الگوریتم استفاده می‌شود (شکل ۲). سپس به کمک تابع تعیین اعتبار، اعتبار زیرمجموعه انتخاب شده را تعیین می‌کند. برای این کار می‌توان از داده‌های نمونه برداری شده و یا مجموعه داده‌های شبیه سازی شده استفاده نمود. به بیان دیگر، تابع تعیین اعتبار جزئی از فرآیند انتخاب



شکل ۱- فرآیند گزینش بهترین الگوریتم انتخاب ویژگی.



شکل ۲- نمودار فعالیت الگوریتم انتخاب ویژگی در سرده Rubus



شکل ۳- عملکرد الگوریتم‌های دسته‌بندی [۱۹، ۴].

**نتایج و بحث**

در این پژوهش نرم افزاری با استفاده از کتابخانه Weka و به زبان جاوا نوشته شد که داده ها را از فایل ورودی دریافت کرده و عملیات پردازشی (شامل انتخاب ویژگی و دسته بندی) را روی داده ها اعمال می کند، سپس گزارشی (شامل ویژگی های انتخاب شده و دقت و خطای دسته بندی با استفاده از آن ویژگی ها) را به صورت یک فایل اکسل بر می گرداند. جهت کاهش تعداد ویژگی ها، داده ها با استفاده از تعدادی الگوریتم های انتخاب ویژگی واکاوی شده و

### الگوریتم های دسته بندی<sup>۱</sup>

یکی از مهمترین روش های ارزیابی کارایی الگوریتم های انتخاب ویژگی استفاده از الگوریتم های دسته بندی است، به طوری که هر چه دقت دسته بندی با استفاده از مجموعه های از ویژگی ها بیشتر باشد بیانگر این است که آن ویژگی ها از کارایی بیشتری برخوردارند.

جهت ساخت یک دسته بندی از روش آموزش و تست (Train and Test Method) مطابق (شکل ۳) استفاده می شود که به موجب آن مجموعه داده های در دسترس به مجموعه های آموزشی (Training Set) و مجموعه های تست (Testing Set) تقسیم می شود [۱۹، ۴]. در این تحقیق مطابق (شکل ۱) از الگوریتم های دسته بندی Naive Bayes<sup>۲</sup>, MLP<sup>۳</sup>, C4.5<sup>۴</sup>, Random Forest<sup>۴</sup>, KNN<sup>۴</sup>, SMO<sup>۴</sup> و K-Nearest Neighbors است [۱۴، ۲۱، ۲۵، ۲۶، ۲۸، ۳۰].

<sup>1</sup> Classification Algorithms

<sup>2</sup> Multilayer Perceptron

<sup>3</sup> Sequential Minimal Optimization

<sup>4</sup> K-Nearest Neighbors

Random Subsampling با تکرار به کار گرفته شده است [۱۵]. این روش اعتبار سنجی استفاده شده است زیرا تمامی حالت‌های ممکن برای آزمایش و آموزش الگوریتم دسته‌بندی را در نظر می‌گیرد. (جدول ۴) میزان دقت و خطای الگوریتم‌های مختلف را نشان می‌دهد. برای ارزیابی دسته‌بندی‌های ذکر شده و انتخاب بهترین دسته‌بندی، از ضریب کاپای کوهن [۵] و ریشه خطای مرربع نسبی [۸] استفاده می‌شود. ضریب کاپای کوهن یک معیار آماری توافق درون ارزیاب بین دو اندازه‌گیری برای دسته‌بندی موارد مشابه است. بنابراین هرچه ضریب کاپای کوهن یک الگوریتم بیشتر باشد، میزان دقت آن الگوریتم بالاتر است. همچنین، معیار ریشه خطای مرربع نسبی، خطاب بر حسب درصدی از میانگین واقعی دقت یک الگوریتم است که هرچه این معیار کمتر باشد میزان دقت آن الگوریتم بیشتر است [۸, ۶].

هر الگوریتم تعدادی ویژگی را از بین ۴۶ ویژگی اولیه انتخاب نمود. روش جستجوی Ranker به هر ویژگی یک امتیاز اختصاص می‌دهد که هرچه رتبه یک ویژگی بیشتر باشد بدین معنی است که آن ویژگی از اهمیت بیشتری برخوردار می‌باشد. بنابراین جهت انتخاب ویژگی‌های برتر، یک حد آستانه (Threshold) برای رتبه تعیین شده است. به این صورت که اگر امتیاز یک ویژگی از حد آستانه بیشتر شد، آن ویژگی انتخاب می‌شود. حد آستانه نیز بدین شکل بدست آمده است که ویژگی‌های انتخاب شده توسط آن حد آستانه بیشترین دقت را در دسته‌بندی داشته باشند. تمامی ویژگی‌های انتخاب شده در تجزیه واریانس در سطح یک درصد معنی‌دار می‌باشند. در الگوریتم‌های دسته‌بندی، از ۷۰ درصد داده‌ها (۸۶ نمونه) جهت آموزش و ۳۰ درصد (۳۷ نمونه) باقی مانده برای حالت آزمایش استفاده شده است. به منظور افزایش دقت اعتبار سنجی نتایج، روش Repeated

جدول ۴- نتیجه دسته‌بندی الگوریتم‌ها

الگوریتم دسته‌بندی	الگوریتم انتخاب ویژگی		کاپای کوهن	ریشه مرربع خطای نسبی (%)	تعداد ویژگی‌های انتخاب شده	دقت دسته‌بندی	
	روش جستجو	مدل ارزیابی				درصد درست	درصد غلط
C4.5	Best-First	Cfs-Subset-Eval	۰/۸۳۳	۵۴/۵۷	۱۷	۸۷/۲۹	۱۲/۷۱
	Greedy-Stepwise	Cfs-Subset-Eval	۰/۸۵۴	۵۱/۱۴	۲۱	۸۸/۹۱	۱۱/۰۹
	Ranker	Info-Gain-Attribute-Eval	۰/۸۱۸	۵۴/۹۹	۶	۸۵/۹۴	۱۴/۰۶
		Gain-Ratio-Attribute-Eval	۰/۸۲۶	۵۴/۱۸	۸	۸۷/۵۶	۱۲/۴۴
		ReliefF-Attribute-Eval	۰/۷۶۷	۶۱/۵۸	۷	۸۲/۴۳	۱۷/۵۷
		Correlation-Attribute-Eval	۰/۷۶۴	۵۷/۹۲	۵	۸۱/۸۹	۱۸/۱۱
		Symmetrical-Attribute-Eval	۰/۷۵۸	۶۳/۱۶	۱۲	۸۱/۷۵	۱۸/۶۵
	-	-	۰/۸۰۳	۵۸/۲۸	۴۶	۸۴/۰۹	۱۰/۴۱
SMO	Best-First	Cfs-Subset-Eval	۰/۸۷۵	۹۲/۰۵	۱۷	۹۰/۵۴	۹/۴۶
	Greedy-Stepwise	Cfs-Subset-Eval	۰/۸۸۵	۹۱/۹۶	۲۱	۹۱/۳۵	۸/۶۵
	Ranker	Info-Gain-Attribute-Eval	۰/۸۶۷	۹۲/۰۴	۲۲	۸۹/۹۹	۱۰/۰۱

		Gain-Ratio-Attribute-Eval	۰/۸۹۶	۹۱/۹۱	۲۹	۹۲/۱۶	۷/۸۴	
		ReliefF-Attribute-Eval	۰/۸۴۳	۹۲/۲۹	۱۸	۸۸/۱۰	۱۱/۹	
		Correlation-Attribute-Eval	۰/۹۰۰	۹۱/۹۴	۴۲	۹۲/۴۳	۷/۵۷	
		Symmetrical-Attribute-Eval	۰/۸۸۵	۹۱/۹۵	۲۶	۹۱/۳۵	۸/۶۵	
		-	-	۹۱/۲۸	۴۶	۹۱/۸۹	۸/۱۱	
	Naive Bayes	Best-First	Cfs-Subset-Eval	۰/۹۰۷	۴۱/۰۹	۱۷	۹۲/۹۷	۷/۰۳
	Ranker	Greedy-Stepwise	Cfs-Subset-Eval	۰/۹۰۰	۴۲/۳۲	۲۱	۹۲/۴۳	۷/۰۷
		Info-Gain-Attribute-Eval	۰/۸۲۳	۵۵/۸۱	۱۳	۸۶/۴۹	۱۳/۵۱	
		Gain-Ratio-Attribute-Eval	۰/۸۲۸	۵۵/۱۳	۲۲	۸۶/۷۵	۱۳/۲۵	
		ReliefF-Attribute-Eval	۰/۸۲۸	۵۲/۸۱	۱۲	۸۷/۰۶	۱۲/۴۴	
		Correlation-Attribute-Eval	۰/۸۴۸	۵۲/۶۲	۲۴	۸۸/۳۷	۱۱/۶۳	
		Symmetrical-Attribute-Eval	۰/۸۴۳	۵۲/۳۹	۱۹	۸۸/۱۰	۱۱/۹	
		-	-	۵۴/۸۴	۴۶	۸۷/۰۲	۱۲/۹۸	
	Multilayer Perception	Best-First	Cfs-Subset-Eval	۰/۸۲۴	۴۷/۹۳	۱۷	۸۷/۲۹	۱۲/۷۱
		Greedy-Stepwise	Cfs-Subset-Eval	۰/۸۶۵	۴۴/۸۱	۲۱	۸۹/۷۲	۱۰/۲۸
		Ranker	Info-Gain-Attribute-Eval	۰/۷۴۲	۶۱/۹۶	۶	۸۰/۲۷	۱۹/۷۳
		Gain-Ratio-Attribute-Eval	۰/۸۱۷	۵۵/۰۳	۸	۸۵/۹۴	۱۴/۰۶	
		ReliefF-Attribute-Eval	۰/۸۷۳	۴۴/۲۰	۴۱	۹۰/۲۷	۹/۷۳	
	Ranker	Correlation-Attribute-Eval	۰/۷۷۰	۵۷/۷۴	۵	۸۲/۴۳	۱۷/۵۷	
		Symmetrical-Attribute-Eval	۰/۷۹۵	۵۷/۸۱	۴	۸۴/۳۲	۱۵/۶۸	
		-	-	۴۲/۰۹	۴۶	۹۰/۸۱	۹/۱۹	
		Best-First	Cfs-Subset-Eval	۰/۸۸۲	۴۴/۳۰	۱۷	۹۱/۰۸	۸/۹۲
		Greedy-Stepwise	Cfs-Subset-Eval	۰/۸۷۹	۴۴/۰۱	۲۱	۹۰/۸۱	۹/۱۹
	Ranker	Info-Gain-Attribute-Eval	۰/۷۸۵	۵۶/۳۳	۱۰	۸۳/۰۱	۱۶/۴۹	
		Gain-Ratio-Attribute-Eval	۰/۸۸۱	۴۸/۲۸	۱۲	۹۱/۰۸	۸/۹۲	
		ReliefF-Attribute-Eval	۰/۸۷۱	۴۷/۹۳	۱۲	۹۰/۲۷	۹/۷۳	
		Correlation-Attribute-Eval	۰/۸۷۵	۴۰/۲۶	۲۴	۹۰/۰۴	۹/۴۶	
		Symmetrical-Attribute-Eval	۰/۸۷۱	۴۶/۸۵	۲۶	۹۰/۲۷	۹/۷۳	
	Ranker	-	-	۴۴/۶۸	۴۶	۹۰/۰۴	۹/۴۶	
		Best-First	Cfs-Subset-Eval	۰/۹۰۰	۴۳/۶۵	۱۷	۹۲/۴۳	۷/۷۵
		Greedy-Stepwise	Cfs-Subset-Eval	۰/۹۰۳	۴۴/۳۶	۲۱	۹۲/۷۰	۷/۳۰
		Info-Gain-Attribute-Eval	۰/۹۲۱	۴۴/۲۷	۲۸	۹۴/۰۵	۵/۹۵	
		Gain-Ratio-Attribute-Eval	۰/۹۱۴	۴۴/۸۶	۴۰	۹۳/۰۱	۶/۴۹	
	Random Forest	ReliefF-Attribute-Eval	۰/۹۱۸	۴۴/۷۰	۳۰	۹۳/۷۸	۶/۲۲	
		Correlation-Attribute-Eval	۰/۸۹۷	۴۷/۰۴	۲۴	۹۲/۱۶	۷/۸۴	
		Symmetrical-Attribute-Eval	۰/۹۱۱	۴۵/۱۲	۳۹	۹۳/۲۴	۶/۷۶	
		-	-	۴۷/۳۲	۴۶	۹۲/۹۷	۷/۰۳	

ویژگی‌های بهینه انتخاب شده توسط برخی از الگوریتم‌های مذکور در (جدول ۵) بیان شده است. از این ویژگی‌ها می‌توان به جای تمامی ۴۶ ویژگی برای شناسایی گونه‌ها با کارایی بیشتر استفاده کرد، زیرا به دلیل تعداد ویژگی کمتر و دقت بیشتر در دسته‌بندی (جز دسته‌بندی MLP) با هزینه بسیار کمتر می‌توان گونه‌ها را شناسایی کرد. سه ویژگی رنگ گلبرگ، تعداد برگچه و نوع کرک در بین الگوریتم‌ها مشترک هستند و ویژگی شکل خار شاخه گل دهنده توسط اکثر الگوریتم‌ها انتخاب شده است. بنابراین چهار ویژگی فوق از پتانسیل بالایی برای انتخاب شدن به عنوان کلید شناسایی بین گونه‌های مختلف تمکن برخوردارند. تمامی این ویژگی‌ها کیفی هستند و جهت بدست آوردن آنها نیازی به هزینه اندازه‌گیری آزمایشگاهی نمی‌باشد.

در مجموع با توجه به (جدول ۴) بیشترین دقت در دسته‌بندی با الگوریتم Random Forest حاصل شد، بطوری که الگوریتم فوق به دقت ۹۴/۰۵ درصد در دسته‌بندی با استفاده از ۲۸ ویژگی انتخاب شده توسط Info Gain روش جستجوی Ranker و مدل ارزیابی Attribute Eval رسید. همچنین با تمامی ۴۶ ویژگی و بدون استفاده از هیچ یک از الگوریتم‌های انتخاب ویژگی، به دقت ۹۲/۹۷ درصد در دسته‌بندی رسید. نکته قابل توجه دیگر این است که دسته‌بندی با الگوریتم MLP با استفاده از چهار ویژگی انتخاب شده توسط روشن جستجوی Ranker و مدل ارزیابی Symmetrical Attribute Eval به دقت ۸۴/۳۲ درصد و دسته‌بندی با الگوریتم C4.5 با استفاده از شش ویژگی انتخاب شده توسط روشن جستجوی Ranker و مدل ارزیابی Info Gain Attribute Eval به دقت ۸۵/۹۴ درصد رسید.

جدول ۵- ویژگی‌های بهینه انتخاب شده

کمی	ویژگی‌ها	تعداد ویژگی انتخاب شده	دقت دسته‌بندی (%)	الگوریتم انتخاب ویژگی		الگوریتم دسته‌بندی
				مدل ارزیابی	روش جستجو	
طول دمبرگ، طول برگچه جانبی، طول دمبرگچه انتهایی، طول برگچه انتهایی	شکل خار شاخه گل دهنده، رنگ گلبرگ، تعداد برگچه، نوع کرک، فرم ساقه، نوک کاسپرگ، رنگ سطح تحتانی برگچه، کرک بساک، پوشش کرک در سطح فرقانی برگچه، رنگ میله، شکل گوشوارک، نوع کرک کاسپرگ، نوع کرک دمبرگ، نوع گل آذین، نوع کرک سطح فرقانی، نوک برگچه انتهایی، فرم رویشی، حالت شاخه گل دهنده، پوشش کرک در سطح تحتانی، غده کاسپرگ، شکل خار دمبرگ، نوک برگچه جانبی، غده در گل آذین، حضور غده در ساقه	۲۸	۹۴/۰۵	Info Gain Attribute Eval	Ranker	Random Forest
-	نوع گل آذین، فرم رویشی، حالت شاخه گل دهنده، رنگ گلبرگ، نوع کرک کاسپرگ، حضور غده در ساقه، نوع کرک، نوک کاسپرگ، کرک بساک، تعداد برگچه، رنگ میله، غده کاسپرگ، غده در گل آذین	۱۳	۹۱/۰۸	Gain Ratio Attribute Eval	Ranker	K-nearest neighbors
طول دمبرگ	رنگ گلبرگ، تعداد برگچه، نوع کرک، شکل خار	۶	۸۵/۹۴	Info Gain Attribute Eval	Ranker	C4.5

-	شاخه گل دهنده، فرم ساقه رنگ گلبرگ، تعداد برگچه، نوع کرک، شکل خار شاخه گل دهنده	٤	٨٤/٣٢	Symmetrical Attribute Eval	Ranker	MLP
---	--	---	-------	----------------------------	--------	-----

## References

- [1] Aalders, L. E. and Hall I. V. 1966. A Cytotaxonomic survey of the native blackberries of Nova Scotia. Canadian Journal of Genetics and Cytology 8: 528-532.
- [2] Ali, A.S.O., Malik, A.S. and Aziz, A. 2013. A geometrical approach for age-invariant face recognition. International Visual Informatics Conference. – Springer 81-96.
- [3] Ballington, JR. Lutelyn, MM. Thompson, K. Romoleroux, K. and Castillo, R. 1993. *Rubus* and Vacciniaceous germplasm resources in the Andes of Ecuador. Plant Genetic Resources newsletter 93: 9-15.
- [4] Bramer, M. 2007. Principle of data mining. Springer.
- [5] Carletta, Jean. 1996. Assessing agreement on classification tasks: The kappa statistic. Computational Linguistics 22: 249–254.
- [6] Cohen, J. 1960. A Coefficient of Agreement for Nominal Scales. Educational and psychological measurement, 20: 37-46.
- [7] Dash, M. and Liu, H. 1997. Feature selection for classification. Intelligent data analysis 1:131-156.
- [8] Diaz, F., & Jones, R. 2004. Using temporal profiles of queries for precision prediction. International ACM SIGIR conference on Research and development in information retrieval 18-24.
- [9] Focke, W. O. 1910. Species Ruborum. Monographiae Generic. Rubi Prodromus. Bibliotheca Botanica 17: 1-120.
- [10] Focke W. O. 1911. Species Ruborum. Monographic Genesis. Rubi Prodromus. Pars I, Stuttgart.
- [11] Focke, W. O. 1914. Species Ruborum. Monographic Genesis. Rubi Prodromus. Pars I-II. Stuttgart.
- [12] Gu, Y., C. M. Zhao, W. Jin, and W. L. Li. 1993. *Rubus* resources in Fujian and Hunan provinces. Acta Horticulturae 345: 117-125.
- [13] Gustafsson, A. 1942. The origin and properties of the European blackberry flora. Hereditas 28: 249-277.
- [14] Gardner, M. W., Dorling, S. R. 1998. Artificial neural networks (the multilayer perceptron)—a review of applications in the atmospheric sciences. *Atmospheric environment*, 32(14-15), 2627-2636.
- [15] Han, J., Pei, J. and Kamber, M. 2011. *Data mining: concepts and techniques*. Elsevier.
- [16] Hummer, K. E. 1996. *Rubus* diversity. Hort Science 31: 182-183.
- [17] Ian H. Witten and Eibe Frank. 2005. Data Mining Practical Machine Learning Tools and Techniques.
- [18] Kasalkhe, R., Jorjani, E., Sabori, H., Sattarian, A., Habibi, M. 2016. Biosystematic study of *Rubus* L. (Rosaceae) in North of Iran. MSc thesis. University of Gonbad-e-Kavous, 276 pp.
- [19] Kantardzic, M. 2003. *Data Mining: Concepts, models, methods, and algorithms*. Wiley-Interscience.
- [20] Khatamsaz, M. 1992. Flora of Iran (Rosacea).-Research Institute of forests and Rangelands 6: 20-35.
- [21] Larose, D. T. 2005. k-nearest neighbor algorithm. *Discovering Knowledge in Data: An Introduction to Data Mining*, 90-106.
- [22] Lu, L. T. 1983. A study on the genus *Rubus* of china. Actaphyto taxonomic sinica 21: 13-25.
- [23] Published on the Internet <https://weka.waikato.ac.nz/explorer> [accessed 13 November 2017].
- [24] Published on the Internet <http://weka.sourceforge.net/doc.dev/weka/attributeSelection/AttributeEvaluator.html> [accessed 13 November 2017].
- [25] Platt, J. 1998. Sequential Minimal Optimization: A Fast Algorithm for Training Support Vector Machines. Microsoft Research.
- [26] Quinlan, J.R. 2014. C4.5: programs for machine learning. Elsevier 58-60.
- [27] Richards, A. J., J. Kirschner, J. Stepanek, and K. Marhold. 1996. Apomixis and taxonomy: an introduction. *Folia Geobotanica phytotaxonomica* 31: 281-282.

- [28] Rish, I. 2001. An empirical study of the naive Bayes classifier. IJCAI Workshop.
- [29] Robertson, K. R. 1974. The genera of Rosaceae in the southe astern United States. Journal of the Arnold Arboretum 55: 352-360.
- [30] Svetnik, V., Liaw, A., Tong, C., Culberson, J. C., Sheridan, R. P., Feuston, B. P. 2003. Random forest: a classification and regression tool for compound classification and QSAR modeling. *Journal of chemical information and computer sciences*, 43(6), 1947-1958.
- [31] Thompson, M. M. 1995. Chromosome number of *Rubus* species at the National Clonal Germplasm Repository. Hort Science 30: 1447-1452.
- [32] Weber, H. E. 1995. Die Gattung *Rubus* L. im nordwestlichen Europa. *Phanerogamarum Monographiae Tomus VII*. J. Cramer, Lehre, Germany.
- [33] Remagnino, P., Mayo, S., Wilkin, P., Cope, J. and Kirkup, D., 2016. Computational Botany. Springer Berlin Heidelberg:
- [34] Ramírez-Gallego, S., García, S., Mouríño-Talín, H., Martínez-Rego, D., Bolón-Canedo, V., Alonso-Betanzos, A., Benítez, J.M. and Herrera, F., 2016. Data discretization: taxonomy and big data challenge. Wiley Interdisciplinary Reviews: Data Mining and Knowledge Discovery, 6(1), pp.5-21.