

شناسایی مولکولی آناپلازما اوویس در گوسفندان استان گیلان به روش PCR

وحید نعمان^۱، نصرالله واحدی نوری^{۱*}، عبدالرضا نبی نژاد^۲، هادی میران زاده^۳، مسعود برومند جزئی^۳

چکیده

آنپلازما اوویس، عامل بیماری در گوسفند و بز، در بسیاری از مناطق گرمسیری و نیمه گرمسیری دنیا است. هدف از این مطالعه تعیین گونه آنپلازما اوویس در گوسفندان استان گیلان و تاثیر برخی از متغیرها (فصل، سن و جنس دام) در میزان شیوع آن بود. برای این منظور، تعداد ۲۰۰ نمونه خون از طریق رگ وداج گوسفندان بطور تصادفی از نقاط مختلف استان گیلان اخذ گردید. DNA استخراجی از نمونه های خونی با جفت آغازگری که قطعه ۱۴۶۸ جفت بازی از ژن *16S rRNA* جنس آنپلازما را تکثیر می کرد، تکثیر شد. سپس نمونه های مثبت با جفت آغاز گر اختصاصی آنپلازما اوویس از ژن *msp4* که قطعه ۸۶۶ جفت بازی را تکثیر می کرد، تکثیر شد. در مجموع، ۳۸ نمونه از ۲۰۰ نمونه (۱۹ درصد) از نظر آنپلازما اوویس مثبت بودند. در مقایسه فراوانی آنپلازما اوویس در فصول مختلف، آلودگی در شش ماه دوم سال با اختلاف معنی داری بیشتر از شش ماه اول سال بود ($P < 0/05$). اما در ارتباط با سنین مختلف دام های مورد بررسی و جنس دام هیچگونه تفاوت معنی داری مشاهده نگردید ($P > 0/05$). در این مطالعه آلودگی به آنپلازما اوویس در گوسفندان استان گیلان تایید شد. مطالعه در خصوص روشهای انتقال آنپلازما اوویس و ناقلین آن در ایران تا حد زیادی ناشناخته باقی مانده است و مستلزم تحقیقات بیشتری در مطالعات آینده می باشد.

واژگان کلیدی: شناسایی مولکولی، آنپلازما اوویس، گوسفندان، گیلان،

PCR

تاریخ دریافت: ۱۴۰۱/۸/۱۵ تاریخ پذیرش: ۱۴۰۱/۱۱/۱

مقدمه

جنس آنپلازما از راسته ریکتزiales و خانواده آنپلازما تاسه آ، شامل گونه های از باکتریهای گرم منفی، درون سلولی اجباری است که می توانند بر سلامت انسان و حیوان تأثیر بگذارند (۱).

امروزه جنس آنپلازما شامل گونه های آنپلازما پلاتیس، آنپلازما بوویس، آنپلازما مارجیناله، آنپلازما اوویس، آنپلازما سنتراله و آنپلازما فاگوسیتوفیلوم است. این باکتری های منتقله از بندپایان همگی سلول های خونی میزبان های یوکاریوتی را آلوده می کنند و منحصرأ در واکوئول های داخل سیتوپلاسمی سلول مستقر می شوند. گونه های مختلف، جایگاه سلولی و میزبانی متفاوتی دارند، بطوریکه آنپلازما اوویس، آنپلازما مارجیناله و آنپلازما سنتراله، گلبول های قرمز نشخوارکنندگان را آلوده می نمایند (۲). بیماری های شاخص ناشی از گونه های آنپلازما در نشخوارکنندگان اهلی کوچک شامل: تب منتقله از کنه، ناشی از آنپلازما فاگوسیتوفیلوم و آنپلازما سموزیس گوسفندی ناشی از آنپلازما اوویس است. آنپلازما اوویس، عامل ایجاد کننده بیماری در گوسفند و بز، برای اولین بار در سال ۱۹۱۲ توصیف شد و از آن زمان در بسیاری از قاره ها در سراسر جهان گزارش شده است. این باکتری به عنوان یک عامل بومی، در بسیاری از مناطق گرمسیری و نیمه گرمسیری است، اما میزان خسارات اقتصادی آن هنوز به خوبی مطالعه نشده است. این باکتری عمدتاً باعث بیماری تحت بالینی با تأثیر ظاهری کم در حیوانات شده و به عنوان یک عامل بیماریزا با اهمیت جزئی در نظر گرفته می شود. اگرچه علایم عفونت با آنپلازما اوویس در بز و گوسفند اغلب تحت بالینی یا

۱- بخش تحقیقات بیماریهای انگلی دامی، موسسه تحقیقات واکنس و سرم سازی رازی، سازمان تحقیقات آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران nsvahedi@yahoo.com
۲- بخش تحقیقات بیماریهای ویروسی طیور، موسسه تحقیقات واکنس و سرم سازی رازی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران
۳- بخش تحقیقات علوم دامی، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان اصفهان، سازمان تحقیقات آموزش و ترویج کشاورزی، اصفهان، ایران.

۶۰ درصد و ۶۷/۰۶ درصد گزارش شده است (۱۱). همچنین گونه های مختلف کنه شامل جنس های *درماستور*، *ریپی سفالوس*، *ایکسودس* و *هیالوما* به عنوان کنه های ناقل این باکتری در ایران شناخته شدند (۱۲، ۱۳). با توجه به اینکه، اطلاعات در زمینه شیوع *آناپلازما اوویس* در گوسفندان استان گیلان و جنبه های اپیدمیولوژی آن ناشناخته می باشد، لذا این تحقیق برای اولین بار با هدف تعیین میزان شیوع مولکولی *آناپلازما اوویس* در گوسفندان استان گیلان و تاثیر برخی از متغیرها از قبیل: فصل، سن، و جنس دام بر میزان شیوع آن صورت گرفته است.

مواد و روش کار

نمونه برداری: این تحقیق بصورت مقطعی - توصیفی بر روی گوسفندان استان گیلان انجام گردید. برای این منظور در طول سال ۱۳۹۷، به صورت تصادفی از ۲۰۰ رأس گوسفند به ظاهر سالم از نقاط مختلف استان (آستانه اشرفیه، رشت، رودبار، رودسر، شفت، صومعه سرا، طوالش، فومن، لاهیجان و لنگرود) نمونه گیری خون به عمل آمده است. از هر دام ۵ میلی لیتر خون از ورید و داج اخذ و در لوله های حاوی ماده ضد انعقاد جمع آوری شد. اطلاعات مربوط به دامداری و دام های مورد نمونه گیری بر اساس گفته دامدار در برگه های جداگانه ای ثبت شد. نمونه ها در یخ زن (منهای ۲۰ درجه سلسیوس) جهت آزمایشهای بعدی نگهداری گردید. جهت شناسایی مولکولی *آناپلازما اوویس* در گوسفند، مراحل ذیل انجام گردید.

استخراج DNA

خفیف مشاهده می شود، اما در شرایطی مانند: عفونت های همزمان، سوء تغذیه، آبستنی یا سایر عوامل استرس زا، مانند هوای گرم، واکسیناسیون، کرم زدایی، آلودگی شدید دام با کنه و حمل و نقل طولانی، علائم بیماری بروز می کند. بسته به تعداد باکتری آلوده کننده، دوره کمون بیماری ممکن است بین ۵ تا ۴۰ روز متغیر باشد (۳). در اوج باکتری، ۱ تا ۱۲ درصد از گلبول های قرمز در بزها و ۰/۱ تا ۴ درصد گلبول های قرمز در گوسفندان آلوده می شوند. در حیواناتی که طحال آنها برداشته شده، ۹۰ درصد از گلبول های قرمز می توانند در اوج باکتری آلوده شوند. بیشترین سطح کم خونی چند روز پس از اوج باکتری رخ می دهد و این زمانی است که علائم بالینی حیوان آلوده بیشتر نمایان می شود. علائم بالینی مشاهده شده در مرحله حاد عفونت *آناپلازما اوویس* عبارتند از: تب (بالا با نوسان ثابت)، رنگ پریدگی غشاهای مخاطی، افزایش ضربان قلب و تنفس، افسردگی، سقط جنین و کاهش قابل توجه وزن بدن که ممکن است با کاهش حرکت شکمبه و یبوست همراه باشد. در انتقال *آناپلازما اوویس* به نشخوارکنندگان، انواع مختلف جنس های کنه خانواده ایسکودیده نقش دارند. *آناپلازما اوویس* ناشی از *آناپلازما اوویس* در ایران، بیش از ۸۵ سال است که شناخته شده است. مطالعات انجام گرفته تاکنون نشان می دهد که میزان عفونت *آناپلازما اوویس* در بین گوسفندان مناطق مختلف کشور، از ۵ تا ۸۷ درصد، متغیر می باشد (۴-۸). مطالعات صورت گرفته در کشورهای همسایه ایران از جمله در مناطق مختلف پاکستان، میزان آلودگی گوسفندان به *آناپلازما اوویس* را ۲۱ درصد تا ۳۱ درصد نشان می دهد (۹، ۱۰). در کشورهای همسایه غربی ایران نظیر عراق، میزان آلودگی گوسفندان به *آناپلازما اوویس* ۶۶/۷ درصد و در ترکیه نیز

و آناپلازما مارجیناله دارای تفاوت قابل ملاحظه‌ای نمی‌باشند، لذا برای تشخیص گونه آناپلازما اوویس از ژن *msp4* استفاده شد (۱۴).

PCR جهت تکثیر گونه آناپلازما اوویس با استفاده از ژن *msp4*

برای این منظور آغازگرهای اختصاصی استفاده شد که بتواند فقط ژن *msp4* گونه آناپلازما اوویس را در خون گوسفند تکثیر نماید. بنابراین از DNA استخراجی نمونه های مثبت و با استفاده از جفت آغازگرهای اختصاصی و با آغازگرهای *Anaplasma ovis sense* (5'GGGAGCTCCTATGAATTACAGAGAATTGT TTAC3') و *Anaplasma ovis Antisense* (5'CCGGATCCTTAGCTGAACAGGAATCTTGC3') اختصاصی آزمایش تعیین گونه بر روی DNA نمونه های مثبت PCR اولیه انجام شد. در صورتیکه نمونه با هر جفت از آغازگرهای اختصاصی آناپلازما اوویس تکثیر می شد باندی در حدود ۸۶۶ bp روی ژل مشاهده می گردید. در پایان پس از به دست آمدن نتایج، از نرم افزار SPSS 18 و آزمون کای دو با سطح اطمینان ۹۵ درصد ($P < 0.05$)، جهت مقایسه درصد فراوانی آلودگی گونه آناپلازما اوویس و همچنین مقایسه درصد آلودگی آن در فصول مختلف سال، سنین مختلف و جنس دام استفاده شد.

نتایج

نتایج آزمونهای فوق نشان داد، تعداد ۳۸ نمونه (۱۹ درصد) از ۲۰۰ نمونه گوسفندی مورد بررسی در PCR اولیه با استفاده از ژن *16S rRNA* از نظر آلودگی با جنس آناپلازما مثبت بودند (نگاره ۱) (جدول ۱). در تعیین گونه آناپلازما اوویس، DNA استخراجی نمونه های مثبت، توسط جفت آغازگر اختصاصی *Anaplasma ovis*

برای این منظور، نمونه های خون را از یخزن خارج و در دمای اتاق قرار داده، پس از ذوب، تقریباً ۵۰ میکرو لیتر از هر نمونه را در داخل تیوب اپندورف ۱/۵ سانتی متر مکعب ریخته، سپس با استفاده از کیت مخصوص استخراج DNA تولیدشده در شرکت MBST (ایران) و طبق دستورالعمل شرکت، استخراج DNA انجام گرفت. سپس DNA استخراجی بر اساس دستورالعمل، بر روی ژل آگارز مورد بررسی و تجزیه و تحلیل قرار گرفت (۱۴).

PCR اولیه

PCR اولیه برای تشخیص جنس آناپلازما بدون در نظر داشتن گونه خاصی انجام گرفت. بدین منظور از جفت آغازگر *Anaplasma all* استفاده شد که ترادف نوکلئوتیدی آن شامل تمامی گونه های آناپلازما می شود. آغازگرهای بکار رفته به صورت زیر بوده است.

Forward strand primer: 5' AGAGTTTGATCCTGGCTCAG 3'
Reverse strand primer: 5'ACAGCTACCTTGTTACGACTT 3'

باند حاصله از تکثیر در اثر این جفت آغازگر پس از PCR در همه گونه ها در حدود ۱۴۶۸ جفت باز خواهد بود. محصول تکثیرشده توسط این جفت آغازگر دربرگیرنده قطعه بسیار متغیر (Hyper Variable Region) V1 از ژن *16S rRNA* جنس آناپلازما است. بعد از اتمام PCR، نمونه ها در دستگاه الکتروفورز حاوی محلول 0.5x TBE و ولتاژ ۱۰۰ ولت آنالیز شدند. جهت ارزیابی باندهای به دست آمده مارکر (100bp plus DNA Ladder) ساخت شرکت Cinna Gen در ژل مورد استفاده قرار گرفت. با توجه به اینکه نوکلئوتیدهای قسمت بسیار متغیر V1 ژن *16S rRNA* در سه گونه آناپلازما اوویس، آناپلازما سنتراله

بر اساس نتایج بدست آمده، درصد آلودگی آناپلازما اوویس در فصول مختلف سال، به ترتیب در بهار و تابستان (۱۳ درصد)، پاییز و زمستان (۲۴/۱ درصد) می باشد (جدول ۲). در مقایسه فراوانی گونه آناپلازما اوویس در گوسفندان استان گیلان در فصول مختلف نمونه گیری شده، با انجام آزمون کای دو، اختلاف معنی دار مشاهده گردید ($P < 0/05$).

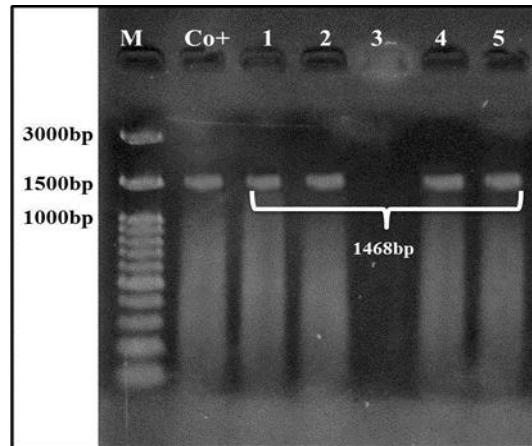
جدول ۱- نتایج کلی حاصله از آزمونهای ملکولی نمونه های خونی گوسفند

نوع دام	گونه های آناپلازما	تعداد مورد بررسی	فراوانی آلودگی	درصد	حدود اطمینان ۹۵ درصد	
					کمترین	بیشترین
	آنپلازما	۲۰۰	۳۸	۱۹	۲۶/۴	۴۴/۸
گوسفند اوویس	آنپلازما	۲۰۰	۳۸	۱۹	۱۲/۵	۲۷/۸

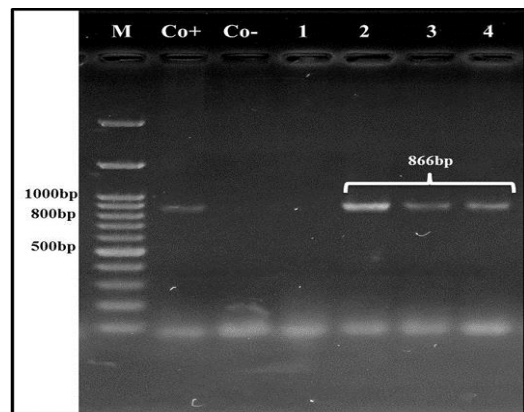
همچنین درصد آلودگی آناپلازما اوویس در بین گوسفندان و در سنین مختلف به ترتیب ۱، ۳-۳ سال (۰ درصد)، ۳-۵ سال (۱۹/۲ درصد) می باشد (جدول ۲). در مقایسه فراوانی گونه آناپلازما اوویس در گوسفندان استان گیلان در سنین مختلف نمونه گیری شده، با انجام آزمون کای دو، اختلاف معنی دار مشاهده نگردید ($P > 0/05$).

درصد آلودگی آناپلازما اوویس در بین گوسفندان و در جنس های مختلف به ترتیب، در نر (۰ درصد)، و جنس ماده (۲۱/۱ درصد) می باشد (جدول ۲). در مقایسه فراوانی گونه آناپلازما اوویس در گوسفندان استان گیلان در جنس های مختلف نمونه گیری شده، با انجام آزمون کای دو، اختلاف معنی دار مشاهده نگردید ($P > 0/05$).

sense و Anaplasma ovis Antisense برگرفته از ژن *mSP4* تکثیر شدند که در ۳۸ نمونه (۱۹ درصد) از ۲۰۰ نمونه، محصول مورد نظر ۸۶۶ bp مشاهده شد (نگاره ۲) (جدول ۱).



نگاره ۱- تکثیر DNA با جفت آغازگر *Anaplasma al* از ژن *mSP4* با محصول ۱۴۶۸ جفت باز. ۵ نمونه های مثبت تکثیر شده، Co+: کنترل مثبت آناپلازما، M: مارکر ۱۰۰bp



نگاره ۲- تکثیر DNA با جفت آغازگر اختصاصی *Anaplasma ovis* از ژن *mSP4* با محصول ۸۶۶ جفت باز. ۴ نمونه های مثبت تکثیر شده، Co+: کنترل مثبت، Co-: کنترل منفی، M: مارکر ۱۰۰bp

آلودگی آناپلازما اوویس در گوسفندان بر اساس

متغیرهای مورد مطالعه

جدول ۲- رابطه آلودگی گوسفندان گیلان به آناپلازما اوویس و متغیرهای مورد بررسی

متغیر	آناپلازما اوویس (منفی)		آناپلازما اوویس (مثبت)		شاخص آزمون کای دو	درجه آزادی	P-Val ue	
	فراوانی	درصد	فراوانی	درصد				
بهار و تابستان	۱۲	۱۳	۸۰	۸۷				
فصل	پائیز و زمستان	۲۶	۲۴/۱	۸۲	۸۵/۹	۳/۹۲۸	۱	۰/۰۴۷
	۱-۳ سال	۰	۰	۱۲	۱۰۰			
سن	۳-۵ سال	۳۸	۱۹/۲	۱۵۰	۷۹/۸	۲/۹۹۴	۱	۰/۰۸۴
جنس	نر	۰	۰	۲	۱۰۰	۰/۴۷۴	۱	۰/۴۹۱
	ماده	۳۸	۲۱/۱	۱۶۰	۸۰/۸			

بحث

باشد. براساس نتایج بدست آمده، درصد آلودگی به آناپلازما اوویس گوسفندان در شش ماه دوم سال (پائیز/ زمستان) بیشتر از شش ماه اول سال (بهار/ تابستان) می باشد. معمولاً میزان آلودگی آناپلازما اوویس با فصل فعالیت گله ها افزایش می یابد. نتایج تحقیقات در استان مازندران نیز مشابه این تحقیق نشان داد که میزان آلودگی گوسفندان به آناپلازما اوویس در شش ماه دوم سال بصورت معنی داری بیشتر از شش ماه اول سال بوده است و این تفاوت را به افزایش فعالیت گله /یکسودس رسینوس (بعنوان ناقل آناپلازما اوویس) در فصل زمستان نسبت داده اند (۸). همچنین تحقیقی در الجزایر نیز نشان داد که آلودگی در فصل پائیز بیشتر از فصول بهار و تابستان بوده است که با مطالعه اخیر همخوانی دارد. استرس تغییرات دمایی، کمبود علوفه و تغییرات فیزیولوژیک (آبستنی و شیردهی) دام نیز در این فصل در سرکوب ایمنی و افزایش آلودگی می توانند موثر باشند (۱۶). در کشورهای حوزه مدیترانه با توجه به فعالیت گله ها در کل سال، آلودگی به

بیماری های منتقله از طریق گله ها از جمله آناپلازما اوویس، در مناطق گرمسیری و نیمه گرمسیری دنیا به دلیل هزینه های مرتبط با بیماری، درمان و کاهش بهره وری در دام از اهمیت اقتصادی برخوردار هستند. در ایران و همچنین استان گیلان، اطلاعات محدودی در ارتباط با آلودگی گوسفندان به آناپلازما اوویس وجود دارد. همانطور که نتایج این تحقیق نشان می دهد، از مجموع ۲۰۰ راس گوسفند مورد بررسی ۳۸ راس (۱۹ درصد)، از نظر آلودگی با گونه آناپلازما اوویس مثبت بودند. اگرچه این میزان قابل توجه است، ولی در مقایسه با نتایج استانهای مازندران (۵۸/۹٪)، خوزستان (۸۷٪) و سیستان و بلوچستان (۸۰٪)، نسبتاً پائین می باشد (۶، ۸، ۱۵). از آنجائیکه در انتقال این باکتری، بند پایانی نظیر گله و عوامل مکانیکی نقش دارند، لذا آگاهی دامداران و مبارزه گسترده بر علیه بند پایان می تواند عاملی موثر در کنترل بند پایان و بیماریهای منتقله توسط آنها از جمله آناپلازما اوویس

تحقیق نشان می دهد که درصد آلودگی در جنس ماده بیشتر از جنس نر می باشد (جدول ۲). در همین راستا نتایج تحقیقاتی در تونس نشان داد که میزان درصد آلودگی به *آنپلازما اوویس*، در میش ها بطور قابل توجهی بیشتر از قوچ ها بوده است. لازم به توضیح است که دو سوم میش های مورد مطالعه، بیش از ۴ سال سن داشتند (۱۹). از طرف دیگر، نتایج تحقیقاتی در منطقه زابل نشان داد که میزان آلودگی در بزهای نر بیشتر از بزهای ماده بوده است (۱۵). به نظر می رسد، تفاوت در میزان آلودگی به گونه های آنپلازما میان جنس نر و ماده، به چندین متغیر بستگی داشته و علاوه بر تاثیر سن به عواملی از قبیل: شرایط آب و هوایی، بهداشت دامداریها، نحوه نگهداری دامهای ماده آبستن، گونه دام نشخوارکننده و غیره ... نیز باید توجه داشت (۲۰). بر اساس بررسیهای انجام شده مطالعه حاضر اولین تحقیق در خصوص *آنپلازما اوویس* در گوسفندان استان گیلان است و حضور *آنپلازما اوویس* را در تمامی مناطق نمونه گیری تایید می کند. روشهای انتقال *آنپلازما اوویس* و ناقلین آن در کشور تا حد زیادی ناشناخته باقی مانده است و مستلزم تحقیقات بیشتر است. با توجه به اینکه هیچ یک از گوسفندهای آلوده علائم بالینی را در زمان نمونه گیری نشان ندادند، ارزیابی تأثیر اقتصادی عفونت *آنپلازما اوویس* دشوار است. از آنجایی که تزریقات دارو و واکسن بدون تعویض سرسوزن در گله های گوسفند در ایران بسیار رایج است به نظر می رسد انتقال مکانیکی نیز در اپیدمیولوژی عفونت نقش داشته باشد. افزایش آگاهی دامدران از روشهای انتقال بیماریهای دامی از طریق کلاسهای ترویجی و رسانه های جمعی برای کنترل پایدار این بیماریها موثر خواهد بود.

آنپلازما معمولاً در تمامی فصول شایع می باشد. اگرچه باکتریهای جنس *آنپلازما* به صورت بیولوژیکی توسط کنه ها منتقل می شوند، اما به طور مکانیکی از طریق نیش حشرات، سوزن ها و سایر ابزارها نیز منتقل می شوند. اکثر مطالعات انتقال *آنپلازما* بر روی گونه های کنه متمرکز شده اند. همچنین تحقیقات نشان می دهد که کنه های جنس *درماستور* ناقل *آنپلازما اوویس* در دنیای جدید هستند، در حالی که *ریپی سفالوس بورسا* و سایر کنه ها، ناقل در دنیای قدیم می باشند. از طرفی دیگر تحقیقات در گوسفندان نشان می دهد که شپشها ممکن است به عنوان یک مخزن برای *آنپلازما اوویس* عمل کنند. با توجه به فعالیت شپشها در فصول سرد سال و نظر به اینکه کنه های جنس *ریپی سفالوس* و *درماستور* در گوسفندان استانهای شمالی کشور فعال می باشند (۱۷)، این نتایج می تواند قابل توجه باشد. بهر حال به تحقیقات بیشتری در این زمینه نیاز است.

بر اساس نتایج این تحقیق، درصد آلودگی به *آنپلازما اوویس* گوسفندان در سنین ۳-۵ سال بیشتر از سنین زیر ۳ سال می باشد (جدول ۲)، ولی این اختلاف به لحاظ آماری نیز معنی دار نمی باشد ($P > 0/05$). معمولاً بز و گوسفند در تمام سنین مستعد ابتلاء به *آنپلازما اوویس* هستند. از آنجائیکه دامهای بالغ، فصول فعالیت کنه ای بیشتری را نسبت به دامهای جوان، پشت سر می گذارند، لذا به همان نسبت بیشتر در معرض هجوم کنه ها قرار می گیرند. اگرچه سن فاکتور تاثیر گذار در میزان شیوع آلودگی *آنپلازما* در بین دامها می باشد و با افزایش سن، درصد آلودگی نیز افزایش می یابد (۱۵، ۱۶، ۱۸)، در برخی تحقیقات قبل نیز هیچ تفاوتی سنی در حساسیت آلودگی به *آنپلازما اوویس* برای بزها و گوسفندان نشان داده نشده است. نتایج این

فهرست منابع

- and associated risk factors of *Anaplasma* spp. and *Theileria* spp. in small ruminants in Northern Pakistan. *Parasite*. 2021;28.
- Ghaffar A, Ijaz M, Ali A, Farooqi SH, Rehman A, Ali MM, et al. First report on molecular characterization of anaplasmosis in small ruminants in Pakistan. *Journal of Parasitology*. 2020;106(3):360-8.
 - Zhou M, Cao S, Sevinc F, Sevinc M, Ceylan O, Ekici S, et al. Molecular detection and genetic characterization of *Babesia*, *Theileria* and *Anaplasma* amongst apparently healthy sheep and goats in the central region of Turkey. *Ticks and tick-borne diseases*. 2017;8(2):246-52.
 - Noaman V. Identification of hard ticks collected from sheep naturally infected with *Anaplasma ovis* in Isfahan province, central Iran. *Comparative Clinical Pathology*. 2012;21(3):367-9.
 - Noaman V, Abdigoudarzi M, Nabinejad AR. Abundance, diversity and seasonal dynamics of hard ticks infesting cattle in Isfahan province, central Iran. *Archives of Razi Institute*. 2017;72(1):15-21.
 - Noaman V. Discrimination between *Anaplasma marginale* and *Anaplasma ovis* by PCR-RFLP. *World Appl Sci J*. 2013;21(2):190-5.
 - Hakimi H, Sarani A, Takeda M, Kaneko O, Asada M. Epidemiology, risk factors, and co-infection of vector-borne pathogens in goats from Sistan and Baluchestan province, Iran. *Plos one*. 2019;14(6):e0218609.
 - Reghaissia N, Dahmane A, Boularias G, Ghalmi F, Azzag N. Epidemiological and Comparative Diagnostic Study of Spp. Infection in Goats from North-Eastern Algeria. *Folia Veterinaria*. 2020;64(3):61-74.
 - Vahedi Noori N, Abdi Goodarzi M, Kiasari MN. Evaluation of the species diversity and abundance of hard ticks (Family: Ixodidae) parasite of cattle and sheep in Mazandaran province. *Veterinary Researches & Biological Products*. 2015;28(1):58-64.
 - Ybañez AP, Sivakumar T, Ybañez RHD, Vincoy MRB, Tingson JA, Perez ZO, et al. Molecular survey of bovine vector-borne pathogens in Cebu, Philippines. *Veterinary Parasitology*. 2013;196(1-2):13-20.
 - Rymaszewska A, Grenda S. Bacteria of the genus *Anaplasma*—characteristics of *Anaplasma* and their vectors: a review. *Vet Med*. 2008;53(11):573-84.
 - Yasini S, Khaki Z, Rahbari S, Kazemi B, Amoli JS, Gharabaghi A, et al. Hematologic and clinical aspects of experimental ovine anaplasmosis caused by *Anaplasma ovis* in Iran. *Iranian journal of parasitology*. 2012;7(4):91.
 - Noaman V, Shayan P, Shahmoradi AH. Detection of *Anaplasma ovis* based on 16S rRNA gene by PCR-RFLP in sheep from central part of Iran. *Journal of Veterinary Laboratory Research*. 2009;1(1):27-37.
 - Noaman V, Bastani D, editors. Molecular study on infection rates of *Anaplasma ovis* and *Anaplasma marginale* in sheep and cattle in West-Azerbaijan province, Iran. *Veterinary research forum*; 2016: Faculty of Veterinary Medicine, Urmia University, Urmia, Iran.
 - Jalali S, Khaki Z, Kazemi B, Bandehpour M, Rahbari S, RaziJalali M, et al. Molecular detection and identification of *Anaplasma* species in sheep from Ahvaz, Iran. 2013.
 - Yousefi A, Rahbari S, Shayan P, Sadeghi-dehkordi Z, Bahonar A. Molecular detection of *Anaplasma marginale* and *Anaplasma ovis* in sheep and goat in west highland pasture of Iran. *Asian Pacific Journal of Tropical Biomedicine*. 2017;7(5):455-9.
 - Vahedi Noori N, Noaman V. Molecular Identification of *Anaplasma* pathogenic Species in Sheep in Mazandaran Province. *Veterinary Researches & Biological Products*. 2020;33(2):29-41.
 - Niaz S, Zia Ur Rahman IA, Cossío-Bayúgar R, Amaro-Estrada I, Alanazi AD, Khattak I, et al. Molecular prevalence, characterization

18. Said MB, Belkahia H, Alberti A, Zobba R, Bousrih M, Yahiaoui M, et al. Molecular survey of *Anaplasma* species in small ruminants reveals the presence of novel strains closely related to *A. phagocytophilum* in Tunisia. *Vector-Borne and Zoonotic Diseases*. 2015;15(10):580-90.
19. Belkahia H, Said MB, El Hamdi S, Yahiaoui M, Gharbi M, Daaloul-Jedidi M, et al. First molecular identification and genetic characterization of *Anaplasma ovis* in sheep from Tunisia. *Small Ruminant Research*. 2014;121(2-3):404-10.
20. Riaz M, Nazir MM, Tasawar Z, Ahmed AN, Ayaz MM, Akram Q, et al. Molecular epidemiology and prevalence of *Theileria lestoquardi* and *Theileria ovis* infection in goats infested with tick vectors from Multan, Pakistan. *Journal of Medical Entomology*. 2019;56(3):844-8.