

بررسی وضعیت آلودگی شیر گاو به باکتری *Mycobacterium avium*

paratuberculosis با روش کشت و PCR در منطقه تبریز

دکتر یونس انزابی^{۱*}، دکتر عبدالمحمد حسنی طباطبایی^۲، دکتر محمد اصغرزاده^۳

چکیده

نقش باقوه شیر در انتقال آلودگی بیماری یون به گوساله‌ها از مادران آلوده از یک طرف و از طرف دیگر نقش دام‌هایی که باکتری عامل این بیماری یعنی مایکوباکتریوم اوپوم پاراتوبرکلوزیس را در شیر خود دفع می‌کنند به عنوان عوامل مهم گسترش آلودگی به بیماری یون در گله‌های گاو شیری و شیری بسیار مهم می‌باشد. همچنین دلیل ارتباط احتمالی که بین عامل بیماری یون و بیماری کرون در انسان مطرح می‌باشد لذا شیر به عنوان یکی از منابع مهم تغذیه‌ای می‌تواند در انتقال عفونت نقش داشته باشد.

بدین منظور بررسی حضور مایکوباکتریوم اوپوم پاراتوبرکلوزیس در شیر مصرفی برای تغذیه انسان و دام می‌تواند شاخص بسیار مهمی در تعیین میزان گسترش این عفونت در جوامع دامی و حیواناً انسانی باشد. لذا در این تحقیق وضعیت آلودگی شیرهای تولیدی در گاوداریهای منطقه تبریز و نیز شیرهای مورد مصرف در بازار تبریز از نظر آلودگی به عامل بیماری یون مورد بررسی قرار گرفت.

جهت انجام این تحقیق، شیر ۸۰ راس گاو به ظاهر سالم و نیز شیر ۸۰ راس گاو مشکوک به ابتلا به بیماری یون و نیز ۲۰ نمونه شیر پاستوریزه تجاری عرضه شده به بازار مصرف تبریز و نیز ۲۰ نمونه از شیرهای آزمایش شده مربوط به گاوهای به ظاهر سالم و مشکوک به ابتلا به بیماری یون که مایکوباکتریوم اوپوم پاراتوبرکلوزیس از آنها جدا شده بود (بعد از پاستوریزاسیون آزمایشگاهی) به روش کشت میکروبی و PCR مورد آزمایش قرار گرفتند که نتایج حاصله به این شرح ثبت شد: شیر گاوهای مشکوک به بیماری یون در ۱۷ مورد (شامل ۲۱/۲۵٪ موارد) به کشت میکروبی و در ۲۵ مورد (شامل ۳۱/۲۵٪ موارد) به PCR جواب مثبت دادند. همچنین شیر گاوهای سالم در ۶ مورد (شامل ۷/۵٪ موارد) به کشت میکروبی و در ۴ مورد (شامل ۱۷/۵٪ موارد) به PCR جواب مثبت دادند از طرف دیگر شیرهای پاستوریزه کارخانه‌ای در ۳ مورد (شامل ۱۵٪ موارد) به کشت میکروبی و در ۷ مورد (شامل ۳۵٪ موارد) به آزمایش PCR جواب مثبت دادند. از طرف دیگر شیرهای پاستوریزه آزمایشگاهی در ۲ مورد (شامل ۱۰٪ موارد) به کشت میکروبی و در ۳ مورد (شامل ۱۵٪ موارد) به آزمایش PCR جواب مثبت دادند.

واژه‌های کلیدی: مایکوباکتریوم اوپوم پاراتوبرکلوزیس، شیرگاو، بیماری یون، تبریز

A Survey on The Infection Status of *Mycobacterium avium paratuberculosis* in Dairy Cattles Using PCR & Culture of Tabriz Region

Anzabi.Y^{1*}, Tabatabayi. A.H², Asgharzade. M³

1-Postgraduated of veterinary microbiology, faculty of specialised veterinary sciences, Islamic azad university, Science & Research Campus, Tehran, Iran.

2-Department of food hygiene, Faculty of veterinary medicine, Tehran university, Tehran Iran.

3-Department of biochemistry, Faculty of medicine, Tabriz medicine sciences, Tabriz, Iran.

Transmission of *Mycobacterium avium paratuberculosis* through milk is among major ways of its distribution in further is dairy and beef herds. Because of the probable relation of ageils of John's disease's and human Crohn's disease, milk can important plars an role in transmission of to human. The role, detection of *Mycobacterium avium paratuberculosis* in milk could be an important index in determination of its distribution in both animal and human populations. In this study the milks of some dairy farms around Tabriz city and also whole milks in the markets, were evaluated.

80 milk samples from apparently healthy cows 80 samples from cows suspected to infection with *Mycobacterium avium paratuberculosis*, 20 samples of commercial pasteurized milk and 20 samples of appearantly helthy cows which *Mycobacterium avium paratuberculosis* had been isolated from their milk (after pasteurization in laboratory) by means of microbial and PCR evaluation, were collected. Among the samples of suspected cows, 17 cases(21.25%) in culture and 25 cases(31.25%) in PCR were positive. Also in samples of apparently healthy cows, 6 cases (7.5%) by microbial culture and 14 cases(17.5%) in PCR were positive in addition, of mony the milk samples which obtained from commercial pasteurized milk, 3 cases (15%) by microbial culture, 7 cases (35%) of PCR were found positive. Among the milk samples which had been pasteurized at laboratory, 2 cases(10%) by microbial culture and 3 cases(15%) by PCR were positive.

Key words : *Mycobacterium avium paratuberculosis*, Cow milk, John's disease, Tabriz

۱- دانش آموخته دکتری تخصصی میکروبیولوژی دانشکده علوم تخصصی دامپزشکی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات، تهران، ایران.

۲- گروه بهداشت و کنترل مواد غذایی دانشکده دامپزشکی دانشگاه تهران، تهران - ایران.

۳- گروه بیوشیمی دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی تبریز، تبریز - ایران.

مقدمه

نقش بالقوه شیر در انتقال آلودگی بیماری یون به گوساله‌ها از مادران آلوده از یک طرف (چه آنهایی که علائم بیماری را نشان می‌دهند و چه آنهایی که فاقد نشانه هستند) و از طرف دیگر نقش دام‌هایی که باکتری عامل این بیماری یعنی مایکوباکتریوم اوویوم پاراتوبرکلوزیس ()

Mycobacterium avium paratuberculosis (=M.a.p) را در شیر خود دفع می‌کنند به عنوان عوامل مهم گسترش آلودگی در داخل گله مخصوصاً زمانی که در گاوداریها از شیر گاوهای آلوده برای تغذیه تعداد زیادی از گوساله‌ها (چه شیری و چه گوشتی) استفاده می‌شود بسیار مهم می‌باشد(۴). همچنین بدلیل ارتباطی که بین باکتری ایجاد کننده بیماری یون در ایجاد بیماری کرون در انسان مطرح است لذا شیر به عنوان یکی از منابع مهم تغذیه‌ای انسان می‌تواند در انتقال میکروارگانیسم از دام‌های آلوده به انسان نقش مهمی ایفا کند(۲). اما جداسازی باکتری مایکوباکتریوم اوویوم پاراتوبرکلوزیس از شیر بروش کشت میکروبی به عنوان یک روش استاندارد ولی دشوار و بسیار کند(بطوریکه گاهی تا ۱۲ هفته یا بیشتر به طول می‌انجامد)(۴)، در بسیاری از موارد سرعت مورد نیاز در شناسایی دام‌های آلوده به منظور پیشگیری از گسترش عفونت در گله‌های گاو و نیز انتقال آلودگی به جوامع انسانی را نخواهد داشت لذا عملاً کنترل و پیشگیری عفونت دچار مشکلات اساسی خواهد بود.

بنابراین به نظر می‌رسد استفاده از یک روش سریع و در عین حال دقیق و با حساسیت بالا مثل واکنش زنجیره‌ای پلی مرز(PCR= Polymerase chain reaction) (۳) در شناسایی حضور و دفع باکتری عامل بیماری یون از شیر گاوهای آلوده (چه با علائم و چه بدون علائم بالینی) در شرایطی که گسترش عفونت می‌تواند خسارات جبران ناپذیری به صنعت گاوداری و نیز بهداشت جامعه انسانی وارد کند ضروری است(۱). سوابق کارهای تحقیقی انجام

شده در نقاط مختلف دنیا نشان می‌دهد که توانسته‌اند به کرات عامل بیماری یون را از شیر گاوهای با علائم بالینی جدا نمایند. همچنین جداسازی میکروب مذکور از مدفوع دام‌های آلوده و نیز از نمونه‌های برداشته شده از عقده‌های لنفاوی دستگاه گوارش و نواحی ایلئوسکال هم انجام گرفته است(۳۲). علاوه بر این روش PCR توانایی شناسایی باکتری عامل بیماری یون را در نمونه های مدفوع و بافت‌های آلوده مثل روده، ناحیه دریچه‌های ایلئوسکال و نیز عقده‌های لنفاوی مربوطه را داشته است. این تحقیقات نقش مهم دفع باکتری مایکوباکتریوم اوویوم پاراتوبرکلوزیس از شیر و اهمیت آن در اپیدمیولوژی و گسترش عفونت مربوطه را در گاوداریها را، علی‌الخصوص پس از اجرای روشهای مدیریت بهداشتی زمانی بهتر نشان داده است که توانسته‌اند با پرهیز از مصرف شیر گاوهای آلوده توسط گوساله‌ها به میزان خیلی بیشتری از میزان ابتلاء به بیماری یون بکاهند(۲). از طرف دیگر توانسته‌اند مقاومت باکتری مایکوباکتریوم پاراتوبرکلوزیس را در مقابل عمل پاستوریزاسیون نشان دهند که این کار نقش بالقوه شیر پاستوریزه مصرفی جوامع انسانی را در انتقال این باکتری از دام به انسان با اهمیت کرده است(۶).

مواد و روش کار

در این تحقیق کشت میکروبی و نیز واکنش زنجیره‌ای پلی‌مرز(PCR) بر روی نمونه‌های شیر ۸۰ رأس گاو به ظاهر سالم و نیز ۸۰ رأس گاو مشکوک به ابتلا به بیماری یون که از تعدادی از گاوداریهای صنعتی منطقه تبریز که سابقه بیماری یون در پرونده بهداشتی آن گاوداریها ثبت شده بود انجام گردید. همچنین ۲۰ نمونه از شیرهای آزمایش شده که باکتری مایکوباکتریوم اوویوم پاراتوبرکلوزیس از آنها جدا شده بود پس از پاستوریزاسیون آنها و نیز ۲۰ نمونه شیر پاستوریزه کارخانه‌ای عرضه شده به

می‌آمد. پس از کشت، محیطها به صورت افقی در انکوباتور 37°C قرار داده می‌شد تا اینکه سطح تماس نمونه با سطح محیط در حداکثر خود باشد و شانس جداسازی افزایش پیدا کند (۱۴).

تذکره ۱: بسیار مهم است که pH محیطهای بالا در حالتی که می‌خواهد جامد شود در حد $7/4 - 7/2$ تنظیم گردد.

تذکره ۲: توصیه می‌شود بعد از عمل آلوده‌زدایی از رسوبی که به منظور کشت استفاده می‌شود یک گسترش مناسب میکروبی تهیه و به روش ذیل نیلسن رنگ‌آمیزی و اندازه، مورفولوژی و آرایش باکتری‌های موجود احتمالی بررسی شود (۱۴).

استخراج DNA از مایکوباکتریوم اویوم پاراتوبرکلوزیس:

در بررسی مولکولی ژنوم باکتری، اولین مرحله، استخراج DNA از ژنوم باکتری می‌باشد. باکتری عامل یون دارای یک دیواره غنی از چربی، پلی‌ساکارید و پروتئین می‌باشد.

در استخراج DNA از باکتری توسط روش SDS (*Sodium dodecyle sulfat*) و پروتئیناز K، DNA خالص و یکدست بدست نمی‌آید. در این تحقیق برای بدست آوردن DNA خالص علاوه بر استفاده از SDS و پروتئیناز K، از ماده CTAB (*N-cetyl- N,N,N-trimethyl ammonium bromide*) استفاده شد. CTAB یک دترجنت کاتیونیک می‌باشد که در شرایط یونی مختلف اعمال گوناگونی انجام می‌دهد. CTAB در شرایط *low ionic strength* باعث رسوب اسیدهای نوکلئیک می‌شود و پروتئین‌ها و پلی‌ساکاریدها در محلول باقی می‌مانند و برعکس در شرایط *high ionic strength* پروتئین‌ها و پلی‌ساکاریدها کمپلکس تشکیل می‌دهند و اسیدهای نوکلئیک در محیط باقی می‌مانند (۳۳).

در این تحقیق برای استخراج DNA مایکوباکتریوم پاراتوبرکلوزیس از CTAB، در شرایط یونی بالا ($0/5\text{M} >$

بازار مصرف تبریز انتخاب و آزمایشات فوق بر روی آنها هم انجام گردید. ضمناً تمام کارهای آزمایشگاهی هم روی خامه شیر و هم روی رسوب شیر انجام گرفت و این باعث شد که در واقع تعداد کل نمونه‌ها از ۲۰۰ نمونه به ۴۰۰ نمونه برسد.

روش کشت میکروبی نمونه‌های شیر:

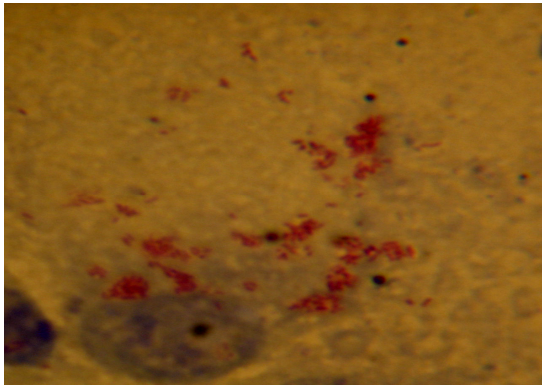
نمونه‌های شیر که در ظروف ۵۰ میلی‌لیتری استریل اخذ شده بود، در دور حدود 3000g به مدت ۱۵ دقیقه سانتریفوژ شده و سپس خامه به مقدار حدوداً 5ml برداشت شده و در لوله آزمایش استریل دیگری ریخته شده و پس از خالی کردن مایع روئی رسوب، عمل آلوده‌زدایی هم بر روی رسوب و هم بر روی خامه با استفاده از محلول $0/075\%$ HPC (*Hexadecyl pyridinium chloride*) به این شکل انجام می‌گرفت که حدود 20ml از این ماده (تقریباً ۴ برابر رسوب یا خامه) را به لوله حاوی رسوب و نیز خامه اضافه کرده و لوله‌ها چندین بار تکان داده می‌شد تا خوب مخلوط شوند و سپس هر کدام به مدت ۵ ساعت در دمای اتاق قرار می‌گرفتند. بعد از این مدت محتویات لوله‌ها بار دیگر در دور حدود 3000g به مدت ۱۵ دقیقه سانتریفوژ و رسوب پس از کنترل pH و در صورت نیاز رساندن آن به $7/4 - 7/2 = \text{pH}$ با استفاده از سود نرمال به ۴ محیط کشت هرولد حاوی زرده تخم مرغ (*Herrold's egg yolk medium*) که به صورت شیب‌دار تهیه شده بود انتقال داده می‌شد (۳ تا از محیط‌های مذکور حاوی حداقل $2\text{mg}/1000\text{ml}$ مایکوباکتین و یا چندین برابر عصاره مایکوباکتریوم فلئی (*Mycobacterium phlei*)، یک محیط هم بدون مایکوباکتین بود). با توجه به دیر رشد بودن (*Mycobacterium avium* M.a.p *paratuberculosis*) قسمت عمقی محیط شیب‌دار نسبتاً ضخیم تهیه می‌شد تا محیط در زمان انکوباسیون طولانی مدت خشک نشود و از آلوده شدن فضای انکوباسیون توسط قارچ‌ها و باکتری‌ها هم تا حد امکان ممانعت بعمل

الکتروفورز DNA در ژل آگاروز:

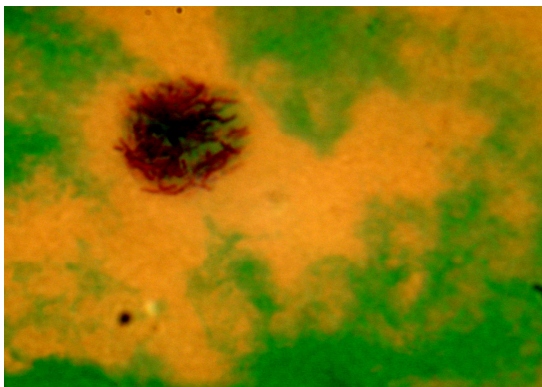
پس از الکتروفورز ابتدا ژلها در تانکی حاوی اتیدیوم بروماید (10mg/ml) قرار داده شده و پس از حدود ۱۵ دقیقه از این رنگ خارج و با استفاده از دستگاه ترانس لومیناتور بررسی گردیدند (۱۵ و ۱۸).

نتایج

اشکال تهیه شده از نتایج آزمایشات مستقیم، کشت میکروبی اختصاصی باسیل یون و همچنین نتایج PCR نمونه‌های شیر در نگاره های ۱ تا ۴ آمده است.



نگاره ۱: باسیلهای اسیدفست عامل بیماری یون در آزمایش مستقیم نمونه شیر آلوده زدایی شده (رنگ آمیزی اختصاصی ذیل نیلسن)



نگاره ۲: کلامپ باسیلهای اسیدفست عامل بیماری یون در آزمایش مستقیم انجام شده در مورد کشت مثبت نمونه‌های شیر (رنگ آمیزی اختصاصی ذیل نیلسن)

استفاده شد. با بکار بردن CTAB در این شرایط، کمپلکس CTAB با پروتئین‌ها و پلی‌ساکاریدها تشکیل شد و در نهایت این کمپلکس با اثر دادن ایزوآمیل الکل کلروفرم جدا شد و اسیدهای نوکلئیک با افزودن ایزوپروپانول روی مایع رویی بدست آمد. DNA بدست آمده توسط این روش خالص و یکدست می‌باشد (۱۵).

پرایمر مورد استفاده:

با استفاده از مقالات موجود و با مراجعه به بانک ژنی و بررسی سکانس IS900 کروموزوم باکتری مایکوباکتریوم اویوم پاراتوبرکلوزیس در نهایت یک جفت پرایمر به شرح زیر از طریق شرکت طوبی نگین تهیه و آماده گردید:

GGT TCG ACG GGG FP-25: CCA
GC ATG
CGG TAC CCT CGG RP-26: GGT
CC CGT

که محصول پرایمرهای بالا قطعه‌ای به اندازه ۲۲۸bp می‌باشد.

برنامه استفاده شده در ترمال سایکلر:

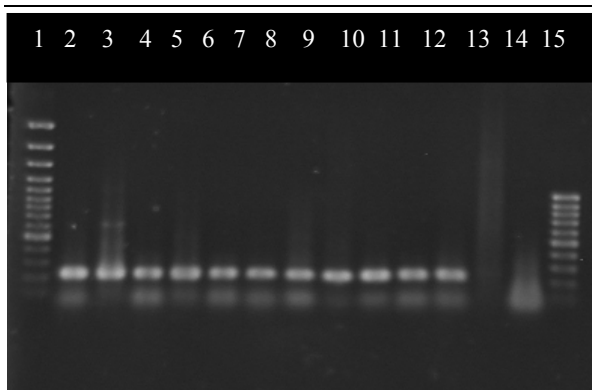
برنامه مورد استفاده با پرایمرهای FP-25 و RP-26 در جدول ۱ آمده است.

جدول ۱: برنامه مورد استفاده با پرایمرهای FP-25 و RP-26

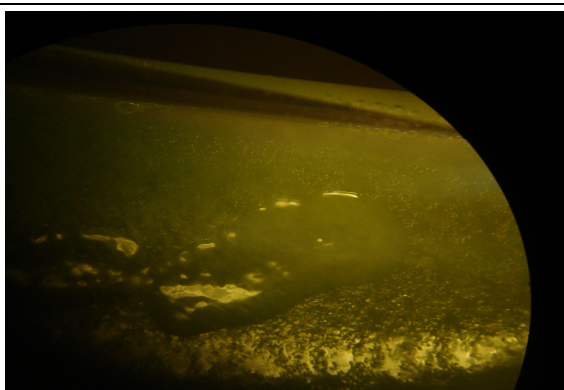
توسعه	اتصال	دنا تراسیون	سیکل اول
-----	-----	۴ دقیقه در ۹۴°C	سیکل اول
۷۲°C در ۴۰ ثانیه	۷۰°C در ۳۰ ثانیه	۹۴°C در ۳۰ ثانیه	سیکلهای اصلی*
۷۲°C در ۷ دقیقه	-----	-----	سیکل آخر

سیکلهای اصلی ۳۵ بار تکرار می‌گردد.

در این برنامه و در طی روند PCR قطعه‌ای به اندازه ۲۲۸bp تکثیر داده می‌شود که در عمل الکتروفورز با مقدار ۷/۵ μl از محصول PCR و در آگاروز ۱/۲٪ باند آن مشخص می‌گردد.



نگاره ۴: در این شکل در ردیف ۲ کنترل مثبت و در ردیفهای ۳ تا ۱۲ محصول PCR ۲۲۸bp و در ردیفهای ۱۳ و ۱۴ نمونه منفی دیده می‌شود. همچنین ردیف اول سایز مارکر DNA ladder plus ۱۰۰bp شرکت Fermentas به ترتیب حاوی باندهایی به اندازه ۱۵۰۰، ۱۲۰۰، ۱۰۳۱، ۹۰۰، ۸۰۰، ۷۰۰، ۶۰۰، ۵۰۰، ۴۰۰، ۳۰۰، ۲۰۰، ۱۰۰ و ردیف ۱۵ سایز مارکر ۱۰۰bp شرکت Fermentas به ترتیب حاوی باندهایی به اندازه ۱۰۳۱bp، ۹۰۰، ۸۰۰، ۷۰۰، ۵۰۰، ۴۰۰، ۳۰۰، ۲۰۰، ۱۰۰ می‌باشد.



نگاره ۳: پرگنه تشکیل شده از باکتریهای عامل بیماری یون در سطح محیط کشت جامد هرولد حاوی زرده تخم مرغ و مایکوباکتین

جدول ۲ نشان دهنده نتایج آزمایش های انجام شده در این تحقیق می‌باشد.

جدول ۲: نتایج آزمایشهای انجام شده در این تحق

تعداد موارد مثبت PCR	تعداد موارد مثبت کشت در محیط جامد هر ولد حاوی زرده تخم مرغ و مایکو باکتین	تعداد	نوع نمونه
۲۵	۱۷	۸۰	شیر گاوهای مشکوک به ابتلا به بیماری یون
۱۴	۶	۸۰	شیر گاوهای به ظاهر سالم
۷	۳	۲۰	شیرپاستوریزه کارخانه‌ای
۳	۲	۲۰	شیرپاستوریزه آزمایشگاهی
۴۹	۲۸	۲۰۰	جمع

هرولد حاوی زرده تخم مرغ دارای مایکوباکتین بررسی شدند ۱۷ مورد مثبت شد که این تعداد شامل ۲۱/۲۵٪ موارد بود. اما وقتی نمونه‌های مذکور توسط PCR با محصول ۲۲۸bp بررسی گردید نتیجه ۲۵ مورد مثبت بود که شامل ۳۱/۲۵٪ موارد می‌باشد. همچنین در مورد شیر گاوهای به

با توجه به نتایج حاصله که در جدول ۲ ثبت شده است مشخص گردید که آلودگی شیر گاوهای مشکوک به بیماری یون به باکتری M.a.p توسط آزمایش مستقیم در ۱۲ مورد مثبت دیده شده است که این شامل ۱۵٪ موارد می‌شود در حالیکه وقتی همین نمونه‌ها از طریق کشت در محیط

بحث

در مطالعه‌ای که بر روی شیر ۲۱۱ رأس گاو مربوط به گله‌هایی که در آنها سابقه‌ی بیماری یون وجود داشت انجام گردید مشخص شد که فقط ۹ نمونه از آنها (۴٪ موارد) به کشت شیر جواب مثبت دادند در حالیکه وقتی همین نمونه‌ها از طریق PCR و با استفاده از بررسی عنصر IS900 ژنوم باکتری عامل یون آزمایش گردید در نمونه‌های مربوط به ۶۹ رأس (۳۳٪ موارد) وجود عامل بیماری یون در شیر نشان داده شد. همچنین وقتی همین آزمایشها بر روی ۲۰ نمونه از شیرهای مربوط به تانک شیر گاوداریهای مذکور انجام گرفت ۱۰ نمونه (۵۰٪ موارد) با روش PCR جواب مثبت نشان داد در حالیکه جواب کشت میکروبی فقط در مورد یک نمونه (۵٪ موارد) توانست مثبت باشد. لذا این تحقیق توانایی بالای روش PCR را برای آشکارسازی آلودگی شیر کارته‌های گاوها و نیز شیر مربوط به تانک شیر گاوداریها به عامل بیماری یون را به خوبی نشان داد (۲۴). نتایج حاصله از تحقیق حاضر هم در قسمت آزمایش PCR که در آن در ۳۱/۲۵٪ موارد عامل بیماری یون در شیر گاوهای مشکوک به ابتلا به بیماری یون نشان داده شد تقریباً یکسان می‌باشد. در حالیکه نتایج کشت شیر خیلی متفاوت می‌باشد (۹).

در مطالعات سالهای اخیر در مورد گله‌های گاوهای شیرده آمریکایی نشان داده است که قریب به ۴۰٪ گاوهای این گله‌ها به عامل بیماری یون آلوده شده‌اند که این امر در آمریکا باعث صدمات اقتصادی فراوان به صنعت شیر ولبنیات می‌شود (۲۴). که نتایج حاصله از این تحقیق نیز تقریباً همین امر را در مورد آلودگی شیرخام گاوها مشخص نموده است (۳۱/۲۵٪ در مورد شیر گاوهای مشکوک به ابتلا به بیماری یون و ۱۷/۵٪ در مورد شیر گاوهای به ظاهر سالم گاوداریهایی شیری) (۲۴). Greet Brratin در مطالعه‌ای که در سال ۱۹۹۹ بر روی شیرهای پاستوریزه شده گله‌های با

ظاهر سالم فقط در ۷ نمونه آزمایش مستقیم برای مشاهده M.a.p مثبت بود که شامل ۸/۷۵٪ موارد بود ولی نتایج حاصله از کشت میکروبی همین نمونه‌ها نشان داد که ۶ نمونه شیر مثبت است که شامل ۷/۵٪ موارد می‌باشد اما وقتی همین نمونه‌های شیر با روش PCR بررسی شد نتایج مثبت حاصله از PCR قطعه ۲۲۸ در ۱۴ نمونه (شامل ۱۷/۵٪ موارد) ثبت گردید.

در همین تحقیق بررسی همزمان شیرهای پاستوریزه کارخانه‌ای عرضه شده به بازار مصرف تبریز در هیچ موردی به آزمایش مستقیم جواب مثبت ندادند در حالیکه ۳ نمونه از این شیرها به کشت میکروبی جواب مثبت دادند که با توجه به تعداد ۲۰ نمونه شیر پاستوریزه آزمایش شده تعداد موارد مثبت حاصله از کشت میکروبی این شیرها ۱۵٪ مشخص گردید و این در حالیست که همین شیرها به آزمایش PCR نتایج متفاوتی دادند بطوریکه نتایج مثبت حاصله از PCR قطعه ۲۲۸bp در ۷ نمونه که شامل ۳۵٪ موارد می‌باشد مشخص گردید.

همچنین بدنال مشخص شدن نتایج حاصله از کشت نمونه‌های شیر گاوهای به ظاهر سالم و مشکوک به ابتلا به بیماری یون تعداد ۲۰ نمونه از آنها که باکتری M.a.p از آنها جدا شده بود جهت مشخص نمودن کارائی پاستوریزاسیون در ازبین بردن و یا غیر فعال سازی باکتری مذکور در آزمایشگاه میکروبی شناسی تحت تاثیر پاستوریزاسیون کند (دمای ۶۵°C و مدت ۳۰ دقیقه) قرار گرفته و سپس تمام آزمایشات اعمال شده در مورد نمونه‌های قبلی اینجا هم انجام گردید که نتایج حاصله بدین شکل بود که فقط در یک نمونه آزمایش مستقیم مثبت شد که شامل ۵٪ موارد بود در حالیکه در دو نمونه کشت میکروبی مثبت بود که شامل ۱۰٪ موارد بود ولی نتایج مثبت حاصله از PCR قطعه ۲۲۸bp در سه نمونه که شامل ۱۵٪ موارد بود بدست آمد.

شیر گاو به باکتری **M.a.p** انجام گرفت نشان داد که موارد مثبت با آزمایش **PCR** در ۱۱/۶٪ نمونه‌ها وجود داشت در حالیکه نتایج حاصل از کشت میکروبی همین نمونه‌ها فقط در ۱/۸٪ از موارد مثبت بود که این اختلاف می‌تواند بیانگر غیر فعال بودن این باکتری در اثر عمل پاستوریزاسیون متداول کارخانه‌ای باشد، درحالی که **DNA** باکتریهای کشته هنوز وجود دارد. از طرف دیگر نتایج همین تحقیق نشان داد که نمونه‌های شیرخام گاوها در ۷/۶٪ موارد به آزمایش **PCR** جواب مثبت و در ۱/۶٪ موارد هم به کشت میکروبی جواب مثبت دادند. عقیده براینست که این نتیجه نمی‌تواند توجیه کننده اثر بخشی قابل توجه پاستوریزاسیون بر بقاء باکتری **M.a.p** در شیر باشد. لذا به نظر می‌رسد که مقدار زیادی از اختلاف بین نتایج **PCR** و کشت میکروبی مربوط به حساس‌تر بودن روش **PCR** باشد، بایستی توجه کرد که حداقل حد ردیابی روش کشت بعد از ضدعفونی با محلول ۰/۷۵٪ **HPC** به مدت حدود ۵ ساعت تقریباً ۱۰ **CFU/50ml** نمونه شیر می‌باشد. در حالیکه حداقل حد ردیابی **PCR** در این شرایط بسیار پایین‌تر از این مقدار است. به طوریکه حدوداً ۱ **CFU/50ml** نمونه شیر تخمین زده شده است (۱۶). البته به نظر می‌رسد تعداد موارد متفاوت مربوط به تعداد نمونه‌های آزمایش شده باشد و موضوع مهم، مساله اختلاف در کارائی دو روش کشت و **PCR** می‌باشد که تحقیق حاضر هم همان را اثبات کرده است.

مطالعات اخیر در ناحیه **Wisconsin** آمریکا نشان داد که حدود ۳۴٪ از گاوه‌های شیری با مایکوباکتریوم پاراتوبرکلوزیس آلوده‌اند. همچنین گزارش اخیر سیستم دیده‌بان سلامت ملی حیوانات (**NAHMS**) برآوردی حدود ۲۲٪ آلودگی در گاوه‌های شیری ایالات متحده آمریکا را نشان می‌دهد. ضمن اینکه میزان شیوع بیماری یون را نیز حدود ۱۰٪ و یا حتی مقداری هم بیشتر محاسبه کرده است (۱۰). نتایج این مطالعات هم با نتایج تحقیق حاضر

سابقه بیماری یون انجام داده است توانسته با استفاده از **PCR** مربوط به عنصر **IS900** وجود باکتری عامل بیماری یون را در ۷٪ نمونه‌ها آشکار کند همچنین در مطالعه مشابهی که در سال ۲۰۰۲ توسط **Giese** و **Ahrens** انجام گرفت این باکتری در ۸٪ شیرهای پاستوریزه مشخص گردید (۲۴).

آزمایشات متعدد در خصوص احتمال بقاء باکتری **M.a.p** در شیر پاستوریزه تجاری در بریتانیا به عنوان بخشی از بررسی‌های بسیار گسترده درخصوص کیفیت میکروبیولوژیک شیر پاستوریزه و شیر خام گاوها در این کشور نشان داد که حداقل ۱/۸٪ از نمونه‌های شیر پاستوریزه آزمایش شده از نظر کشت باکتری مذکور مثبت بودند. البته همین تحقیقات یک استثنای مهم را هم در این خصوص مشخص کردند که آن هم مربوط به زمانی بود که شیر آلوده به **M.a.p** از گاوه‌های مختلف یک گله مبتلا به عفونت پاراتوبرکلوزیس جمع‌آوری می‌شود که در این صورت به هنگام جمع‌آوری در تانکرهای حمل شیر به کارخانه و نیز جمع‌آوری آنها به همراه شیرهای گله‌های دیگر در تانکرهای اصلی کارخانه‌های شیر پاستوریزه باعث می‌شود که تعداد باکتری مذکور در شیر به سطح خیلی پایینی کاهش یابد و لذا پاستوریزاسیون معمولی و متداول کارخانه‌ای به طور موثر در مورد باکتریهای فوق الذکر اعمال می‌شود. یافته اخیر مشخص نمود که آلودگی شیرهای پاستوریزه بسته به میزان آلودگی اولیه در نمونه‌های جمع‌آوری شده در تانکرهای شیر می‌تواند از میزان ۱/۸٪ مشخص شده در این تحقیق متفاوت باشد (۱۶). اما در تحقیق حاضر کشت میکروبی شیرهای پاستوریزه تجاری در ۱۵٪ موارد مثبت بود در حالیکه جواب آزمایش **PCR** آنها حدود ۳۰٪ مشخص گردیده است که وجود همین اختلاف در یک تحقیق که در سالهای ۲۰۰۰-۱۹۹۹ در بریتانیا انجام گرفته است نیز دیده می‌شود (۱۸). بطوریکه تحقیقی که در سالهای ۲۰۰۰-۱۹۹۹ میلادی در بریتانیا در مورد آلودگی

شیر دوشی امکان دارد که بسیار بالاتر از $2-8 \text{ CFU}/50 \text{ ml}$ در نمونه شیر باشد (۱۶).

نتایج تحقیق حاضر از چند جنبه مشکلات مربوط به شناسایی عامل بیماری یون را از طریق کشت میکروبی نشان داد که مهمترین آنها عبارت بودند از اینکه اولاً تعداد موارد شناسایی شده توسط این روش غالباً کمتر از موارد شناسایی شده توسط آزمایش PCR می باشد و لذا به نظر می رسد که کشت میکروبی نمی تواند آلودگی واقعی شیر را به **M.a.p** مشخص نماید. از طرف دیگر طولانی شدن مدت انکوباسیون برای مشاهده پرگنه این باکتری، غالباً باعث افزایش احتمال آلودگی ثانویه آزمایشگاهی و نیز حتی خشک شدن و ناکارآمد شدن محیط کشت قبل از حصول نتیجه لازم می شد که احتمالاً در ثبت نتایج واقعی تاثیر گذاشته است و این در حالی بود که رشد باکتری در محیط مایع هرولد حاوی زرده تخم مرغ و مایکوباکتین بسیار سریع تر و مناسب تر اتفاق می افتاد. تعدادی از مطالعات هم که در زمینه مسائل مربوط به کشت **M.a.p** انجام گرفته غالباً مؤید یافته های این تحقیق می باشد همچنین در تحقیقی گزارش کرده اند که از تعداد ۵۰ رأس گوسفند آلوده به بیماری یون در استرالیا فقط در مورد ۴ رأس (۸٪ موارد) توانسته اند که باکتری عامل یون را در آزمایشگاه و در محیط کشت جدا کنند. مشابه همین مسئله در خصوص مشکلات رشد میکروارگانیسم عامل بیماری یون در گوسفندان آلمان، نیوزلند، اسکاتلند، کانادا، آمریکا، اسپانیا و ایسلند نیز آزمایش و تجربه شده است (۷).

از طرف دیگر در مطالعات مختلف مشخص شده است که تفاوت در کشت آزمایشگاهی سویه های مختلف عامل بیماری یون ممکن است باعث بوجود آمدن حالات مختلف شود که احتمالاً مربوط به عوامل رشد متفاوت هر کدام از آنها می باشد که به امر جداسازی میکروبی آنها با یک روش واحد خدشه ایجاد می کند (۷). همچنین اعلام شده است که مشکل جداسازی باکتری عامل یون در گوسفندان مشابه

مخصوصاً با نتایج آزمایشات PCR که آلودگی به عامل یون را در شیر گاوهای مشکوک به ابتلا به بیماری یون $31/25\%$ و در شیرگاوهای به ظاهر سالم $17/5\%$ برآورده کرده است همخوانی دارد البته اختلاف های ملاحظه شده بیشتر مربوط به میزان کمتر دفع باکتری از شیر در قیاس با مدفوع می باشد بطوریکه نتایج بررسی های مختلف بر روی کشت شیر در مقایسه با کشت مدفوع جهت جداسازی عامل بیماری یون مشخص کرده است که سرعت بسیار پائین رشد و نیز میزان به مراتب کمتر این باکتری در شیر در مقایسه با مدفوع احتمالاً توجیه کننده مسائل زیر می باشد :

دستورالعمل جداسازی **M.a.p** از شیر که توسط محققان استفاده می شود بایستی از آنچه که در مورد نمونه های مدفوع استفاده می شود متفاوت باشد.

۲- **M.a.p** چون یک باکتری سخت گیر است و به نیازهای رشد خود وابستگی شدید دارد لذا پایداری آن در شیر به مراتب کمتر از مدفوع خواهد بود (۱۷).

۳- به همان دلایل گفته شده بنظر می رسد که غالباً تعداد باکتریهای عامل بیماری یون در شیر گاو آلوده در مقایسه با مدفوع به مراتب کمتر باشد (۱۷ و ۲۴).

تحقیقات وسیعی که در مورد آلودگی شیرگاو (پاستوریزه و خام) در بریتانیا انجام گرفته اثبات کرده است که تعداد پرگنه های حاصله از کشت شیر در موارد مثبت نشان داده است که سطوح پایین **M.a.p** یعنی $20-4 \text{ CFU}/50 \text{ ml}$ در هر دو نوع نمونه شیر وجود دارد که این سطح آلودگی گزارش شده همانند سطح آلودگی گزارش شده در مورد شیر گاوهای مبتلا ولی بدون علائم یون یعنی حدود $2-8 \text{ CFU}/50 \text{ ml}$ در نمونه شیر می باشد (۱۶). از طرف دیگر تحقیقات بعدی نشان داده است که مدفوع گاوها در بیماری یون امکان دارد که حاوی حدود 10^4 CFU از باکتری **M.a.p** در هر گرم مدفوع باشد بنابراین سطح واقعی عفونت با باکتری مذکور در شیر خام حیوان مبتلا به عفونت یونی بسته به تدابیر بهداشتی مورد استفاده در اتاق

گاوهای مذکور بیماری یون از طریق مطالعات هیستوپاتولوژیکی و آزمونهای بالینی نیز تأیید شد. از طرف دیگر مشخص شد هر چند که در این مطالعه نمونه‌های آزمایش شده مربوط به شیر گاوهای با علائم بالینی واضح بیماری یون بود ولی می‌توان چنین تصور کرد که گاوهای با علائم تحت بالینی نیز **M.a.p** را از شیر خود دفع می‌نمایند. لازم به ذکر است که مطالعات نشان می‌دهد که در گله‌هایی که بیماری یون در آنها از طرق مختلف (مثل بالینی، هیستوپاتولوژی و کشت) محرز شده است تعداد موارد تحت بالینی این بیماری به مراتب بیشتر از میزان شیوع بیماری به صورت بالینی است. که چنین دامپایی عامل مهمی در گسترش آلودگی در داخل گله نیز خواهد بود. این مشکل زمانی پیچیده‌تر خواهد شد که در یک گاوداری از این شیرهای به ظاهر سالم ولی آلوده برای سایر گوساله‌ها نیز استفاده شود (۳۰).

همچنین یک بررسی در مورد عفونت‌های میکوباکتریوم در آهوهای وحشی اسکاتلند نشان داده است که **PCR** بطور موثری حساس‌تر از کشت جهت تعیین میکوباکتریوم‌ها در غدد لنفی است. همچنین این آزمایش بطور مناسبی در تشخیص وجود **M.a.p** در خون گاوهای آلوده کاربرد دارد در حالیکه جداسازی آن از راههای متداول دیگر بسیار سخت است (۲۷).

در مطالعه‌ای هم که در یک گله شیری ۷۲ رأسی برای تشخیص **M.a.p** انجام شده حد ۶۰٪ نمونه‌های شیر با آزمایش **PCR** مثبت شدند در حالیکه همین نمونه‌ها به کشت باکتری فقط در ۳۰٪ موارد جواب مثبت داده‌اند (۲۷). از طرف دیگر مطالعات بعدی نیز نشان داده است که در عفونت‌های تحت بالینی بیماری یون باکتری **M.a.p** در مونسیت‌های خونی و ماکروفاژهای بافتی حاضر هستند و بعدها ممکن است از آنها بیرون بریزند که در این موارد مخصوصاً آزمایش **PCR** با کارایی بالایی حضور **M.a.p** را بسیار بهتر در مقایسه با کشت می‌تواند شناسایی کند چرا

حالتی است که برای میکوباکتریوم عامل جذام انسان وجود دارد. بطوریکه این باکتری یعنی میکوباکتریوم لپرا (**Mycobacterium lepra**) مایل به رشد در محیط مایع دارد در حالیکه جداسازی آندر محیط جامد بسیار دشوار انجام می‌گیرد (۷). بایستی ذکر گردد که با توجه به نتایج حاصله از تحقیق حاضر و مقایسه آن با تحقیقات مختلف انجام شده در این زمینه به جرأت می‌توان گفت که آزمایش **PCR** جهت شناسایی عفونت پاراتوبرکلوزیس کارآیی بسیار بالایی را در مقایسه با دیگر روش‌های متداول داراست که جهت مشخص کردن میزان تطابق آزمایش‌های مورد استفاده در این تحقیق مبادرت به انجام تست **Kappa** شد که نتایج حاصله به این صورت است که توافق کشت با **PCR** اساسی می‌باشد ($K=0.76$). لذا باتوجه به مطالب بالا بایستی در استفاده از آزمایش **PCR** از پرایمرهایی استفاده کرد که مشابه پرایمرهای مورد استفاده در این تحقیق محصول حاصله از آنها حاوی **۲۲۸bp** باشد.

در یک مطالعه تجربی در مورد کشت شیر برای جداسازی **M.a.p** در روی محیط هرولد حاوی میکوباکتین وزرده‌ی تخم‌مرغ مشخص شده است که جواب مثبت زمانی آشکار می‌شود که **100 CFU/50ml** از این باکتری در نمونه موجود باشد در حالیکه برای ایجاد جواب مثبت از همین نمونه‌ی شیر از طریق **PCR** وجود حدود ۱۰ **CFU/50ml** از باکتری در نمونه غالباً کافی به نظر می‌رسد (۲۴). در تشخیص موارد کلینیکی بیماری یون گاو آزمایش‌های ایزا و کشت مدفوع حساسیتی حدود ۸۵٪ را دارا هستند. در حالیکه این حساسیت در اولین دوره شیردهی حیوان در مورد هر دو آزمایش کاهش می‌یابد به طوریکه این کاهش برای ایزا حدود ۲۵٪ و برای کشت مدفوع حدود ۳۵٪ می‌باشد (۱۰).

در تحقیقی که بر روی شیر ۲۶ رأس گاو در استرالیا انجام گرفت از نمونه مربوط به ۹ رأس از آنها یعنی ۳۵٪ موارد میکوباکتریوم پاراتوبرکلوزیس جدا گردید. همچنین در

۱- DNA فراوان بدست آمده از میزبان یا میکروارگانیسم‌های دیگر غیر از میکروارگانیسم مورد نظر.

۲- وجود مواد ممانعت کننده از گسترش PCR که غالباً در نمونه‌های بالینی وجود دارد.

۳- میزان آمادگی متفاوت DNA ژنوم هر میکروارگانیسم جهت انجام PCR موفق بر روی آن (۱۷).

اما نکته مهم دیگری که در این تحقیق مشخص شد که هم از نظر بهداشت دام و نیز از نقطه نظر بهداشت تغذیه انسان بسیار حائز اهمیت است مشخص شدن آلودگی شیرهای پاستوریزه تجاری و حتی پاستوریزه شده آزمایشگاهی به عامل بیماری یون است البته اختلاف مشخصی بین نتایج PCR این نمونه‌ها و کشت میکروبی آنها ملاحظه شد که دلایل مشخص زیر برای توجیه آن مطرح است که نشان می‌دهد چرا در برخی موارد با اینکه آزمایش PCR یک نمونه شیر پاستوریزه مثبت است ولی کشت آن منفی می‌شود بدین جهت تعداد موارد مثبت کشت میکروبی به مراتب کمتر از موارد مثبت PCR می‌گردد. تحقیقات انجام شده در دانشگاه‌های ایرلند و بریتانیا در مورد حساسیت مایکوباکتریوم اوپوم پاراتوبرکلوزیس به گرما نشان داده است که تحت شرایط آزمایشگاهی پاستوریزاسیون، این باکتری می‌تواند در دمای 72°C به مدت ۱۵ ثانیه زنده بماند، همچنین مشخص شده که بقاء این باکتری زمانی محرز است که باکتری مذکور در شیر خام به تعداد بیش از 10^6CFU/ml وجود داشته باشد (۱۶).

برخی از پژوهشگران از احتمال بهبودی و ترمیم متعاقب آسیب ناشی از گرمای نیمه کشنده (نظیر روش پاستوریزاسیون ۱۵ ثانیه‌ای در دمای 72°C) توسط M.a.p خبر داده‌اند. هر چند که هنوز مدارک محکم علمی برای اثبات این ادعا بدست نیامده است و اثبات قطعی این امر مستلزم بررسی‌های بیشتری در آینده می‌باشد (۱۶).

نتایج نهایی حاصله از بررسی چند ساله اخیر محققین بریتانیایی در مورد آلودگی شیرهای خام و پاستوریزه تجاری

که در بیشتر چنین مواردی میکروارگانیسم داخل سلولی مذکور به تعداد کافی در دسترس نیست تا توسط کشت متداول باکتریائی جداسازی شود در حالیکه برای PCR چنین مشکلی نداریم (۲۷).

اما در تحقیق حاضر علی‌رغم اینکه کارائی بالای PCR نسبت به کشت میکروبی جهت شناسایی M.a.p در شیر مشخص شد منتها در PCR هم مشکلاتی وجود دارد که در تحقیقات انجام شده هم غالباً به این مسائل به نوع دیگر اشاره شده است: در مطالعه‌ای نشان داده شده است که توانایی شناسایی عامل بیماری یون با آزمایش PCR زمانیکه از پرایمرهایی استفاده شود که محصول PCR در آن قطعه‌ای شامل ۲۲۹bp باشد بسیار بالاتر است (۲۴). در تحقیقی نشان داده شده است که زمانیکه میزان عامل یون در نمونه شیر کمتر از 10^6CFU/ml باشد اثبات حضور آن توسط PCR می‌تواند بسیار متفاوت باشد که این مسئله غالباً به از دست رفتن بسیاری از این ارگانیسم‌ها در قسمت خامه شیر در هنگام سانتریفوژ نمونه مربوط می‌شود. (۲۴) لذا برای بررسی جامع و کامل نمونه‌های شیر حتماً بایستی خامه شیر نیز در آزمایش‌ها شرکت داده شوند (۲۴) این مسئله مهم در تحقیق حاضر هم مشخص شد چراکه همانطور که اشاره شد تعداد زیادی از جواب‌های مثبت آزمایش PCR مربوط به خامه شیرها بود. از طرف دیگر بایستی به این نکته توجه داشت که از نظر تئوری PCR توانایی تشخیص حتی یک ژنوم انفرادی را نیز در یک نمونه داراست لذا حساسیت بالائی برای PCR در مقایسه با دیگر روش‌های تشخیصی آزمایشگاهی قائل هستند. مخصوصاً استفاده از این روش در جائیکه برای انجام روش‌های روتین میکروبیشناسی محدودیت‌های جدی وجود دارد (مثل تشخیص باکتریولوژیک بیماری یون) برای بهبود تشخیص و شناسایی عامل بیماری کاربرد مهمی دارد (۱۷). ولی با این وجود برای انجام آزمایش PCR هم محدودیت‌هایی مطرح است که عمدتاً مربوط به موارد زیر است:

گله‌هایی که جواب منفی می دهند حدود ۱۵٪ شیر کمتری تولید می کنند. همچنین یافته‌های مشابهی به وسیله آزمایش الیزا در گاوها گزارش شده که نتایج حاصله اثرات زیان‌آوری را بر روی افزایش تولید شیر نشان می دهد (۱۰). و همچنین در خصوص اهمیت و میزان ماندگاری M.a.p در داخل شیرخام و پاستوریزه که هم از بعد بهداشت و تغذیه دام‌ها مخصوصاً گوساله‌های نوزاد و هم از بعد بهداشت عمومی انسان مخصوصاً استفاده از شیر و مواد لبنی حائز اهمیت است بررسی‌های متعددی انجام گرفته است ولی نتایج یکی از آنها شاید بسیار جالبتر و مهمتر باشد بطوریکه در تحقیقی تجربی در بریتانیا اثبات شد که باکتریهای M.a.p موجود در شیر خام گاوه‌های مبتلا به عفونت یون بیشتر از سویه‌های کشت شده همین باکتری در آزمایشگاه که به داخل لوله‌های آزمایش حاوی شیر اضافه شده بود در برابر گرما مقاوم بوده است (۱۶). که این قضیه می تواند توجیه‌گر تفاوت در آزمایش بر روی شیرهای آلوده خام و نیز شیرهایی باشد که بطور تجربی به باکتری M.a.p آلوده می شوند بطوریکه گاهی نتایج حاصله از بررسی آنها همخوانی‌های لازم و مورد انتظار را ندارد.

البته بر همین اساس هم انتقادهای عمومی بر علیه یافته‌های آزمایشگاهی در خصوص مدت زمان تحمل دمای پاستوریزاسیون توسط عامل بیماری یون وجود دارد چراکه به نحوه شبیه سازی شرایط آزمایشگاهی و طبیعی ایرادهایی وارد شده است. ولی در هر حال مطالعات اخیر نشان داده است که نتایج معتبر درباره مقاومت گرمایی M.a.p فقط با استفاده از بررسی شیرهای پاستوریزه شده با مقیاس صنعتی روش مداوم (HTST) و نیز با آزمایش شیرهای عفونی با آلودگی طبیعی بدست می آید (۱۶).

تشکر و سپاسگزاری

بدینوسیله از کارشناسان مجتمع آزمایشگاهی دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات مخصوصاً آقای مهندس رضا

ارائه شده به بازار مصرف این مطلب را روشن کرده است که شیرهای پاستوریزه خرده فروشی که به صورت تجاری به بازار عرضه می شوند گاهی می توانند حاوی سطوح پایینی از M.a.p قابل زیست باشند. البته برخورد و رویارویی بالقوه بهداشت عمومی با این وضعیت به درستی قطعی و روشن نیست و معلوم نشده است که شیوع بیماری کرون در انسان‌ها آیا ثابت باقی مانده است یا خیر؟ لذا با توجه اهمیت بهداشتی حضور M.a.p در شیرهای پاستوریزه بازاری که احتمال پتانسیل بیماریزا در انسان مخصوصاً در ارتباط با اتیولوژی بیماری کرون را داراست این مسئله یعنی حضور باکتری M.a.p حتی در شیرهای پاستوریزه تجاری می تواند امری ناخواسته و ناخوشایند تلقی گردد (۱۶). در نهایت هم بایستی به این نکته اساسی توجه کرد که یکی از مهمترین مشکلاتی که در بهبود تشخیص عفونت ناشی از مایکوباکتریوم اوپوم پاراتوبرکلوزیس در گله دام‌ها وجود دارد اینست که واقعاً یک آزمایش کامل و یا اصطلاحاً استاندارد طلایی واقعی برای این مسئله وجود ندارد که بتوان ارزش واقعی آزمایش های جدید ابداع شده نظیر انواع روش های PCR را با آن مقایسه کرد. هر چند که اجباراً بایستی کشت میکروبی را ولو بطور ناکامل بدین منظور پذیرفت چراکه این روش قدیمی ولی نسبتاً با ارزش متاسفانه نمی تواند تمام حیوانات عفونی را در یک جمعیت مشخص کند و فقط زمانی ارزش مقایسه‌ای می تواند داشته باشد که هدف مشخص کردن دام‌هایی است که این باکتری را دفع می کنند (۳) البته هدف تحقیق حاضر هم همین مسئله بود لذا بطور نسبی می شود مقایسه‌ای بین کارایی PCR و روش کشت را انجام داد.

اما در مورد اینکه دفع M.a.p چه اهمیت‌های بهداشتی برای دام و انسان دارد مطالب زیادی مطرح است بطوریکه مطالعات متعدد در ایالات متحده امریکا در خصوص بیماری یون نشان داده است گاوهائیکه دارای عفونت مزمن بوده و به کشت مدفوع جواب مثبت داده‌اند در مقایسه با

8. Collins. D.M, Gabric. D.M, Lisle. G.W. (1990). Identification of two groups of *Mycobacterium paratuberculosis* strains by restriction endonuclease analysis and DNA hybridization. *J.Clin. Mic.*(28). PP: 1591-1596.

9. Corti. S, Stephan. R.(2002). Detection of *Mycobacterium avium* subspecies *paratuberculosis* specific IS900 insertion sequences in bulk- tank milk samples obtained from different regions throughout Switzerland. *BMC. Mic.*(2:15). PP: 1-14.

10. Donald C. Sookett.(1999). John's disease diagnosis and control. John's disease on U.S dairy operations. PP: 1-52.

11. Doyle. M.E.(1998). *Mycobacterium paratuberculosis* – Another emerging pathogen of the human gastrointestinal tract? *FRI. Bri.*(10). PP: 1-5.

12. Dwiredi. A, choubey. B, Sarin.B., (2000). A new rapid method for the isolation of mycobacterial DNA. *Indian J. Vet. Path.* (24). PP: 87-90.

13. England.S, (2003). IS900/ERIC- PCR as a tool to distinguish *Mycobacterium avium* subsp. *paratuberculosis* from closely related mycobacteria. *Vet.Microbiology* (96). PP: 277-287.

14. Gilmour. N. GL, Wood. G.W. (1996). *Paratuberculosis* (John's disease). *OIE manual. chapter 3.1.6.* pp: 218-226.

15. Green. E.P, Tizard. M.L.V, Moss. M.T, . (1989). Sequence and characteristics of IS900, an insertion element identified in a human Crohn's disease isolate of *Mycobacterium paratuberculosis*. *Nucleic acids research.* (17). pp: 9063-9073.

16. Irene.R.G, Hywel.J.B, Michael.T.R. (2002). Incidence of *Mycobacterium paratuberculosis* in bulk raw and commercially pasteurized cows milk from approved dairy processing Establishments

عصاره و کارشناس بخش میکروبیشناسی دانشکده دامپزشکی دانشگاه آزاد اسلامی تبریز آقای ابراهیم شرقی تشکر و قدردانی می‌گردد.

فهرست منابع

۱. طباطبائی.ع.ح و فیروزی. ر.(۱۳۸۰). بیماریهای باکتریایی دام. انتشارات دانشگاه تهران- صفحات: ۴۲۳- ۴۱۴.

2. Barrington GM, Gay. JM, Eriks. IS, Carrigon. M. (2003). Temporal patterns of diagnostic results in serial samples from cattle with advanced para tuberculosis infections. *J.Vet. Diagnos.*(15). PP: 195-200.

3. Billman- Jacobe. H, Carrigon. M, Cockram. F, Chiodini. R.J, (1992). A comparison of the interferon gamma assay with the absorbed ELISA for the diagnosis of John's disease in cattle. *Australian Vet. J.*(69). PP: 25-28.

4. Chiodini. R.J. (1990). Characterization of *Mycobacterium paratuberculosis* and organisms of the *Mycobacterium avium* complex by restriction polymorphism of the rRNA gene region. *J. Clin. Mic.*(28). PP: 489-494.

5. Chiodini. R.J, Hermon- Taylor. J. (1994). Prevalence of *Mycobacterium paratuberculosis* in retail dairy products. *Nat. Res. Ini, Co. Gra. Pro.*(NRICGP).(3). PP: 1-19.

6. Chiodini.R.J, Hermom- Tylor.J. (1993). The thermal resistance of *Mycobacterium paratuberculosis* in raw milk under condition simulating pasteurization. *J. Vet. Diagn.* (5). PP: 629.

7. Choy. E, Whittington. R.J, Marsh. I,(1998). A method for purification and characterization of *Mycobacterium avium* subsp. *paratuberculosis* from the intestinal mucosa of sheep with John's disease. *Vet. Microbiol.* (64). PP: 51-60.

- in the United Kingdom. *Applied and Environmental Microbiology*. (68). PP: 2428-2435.
17. Khare. S, Ficht. T.A, Santos. R.L, . (2004). Rapid and sensitive detection of *Mycobacterium avium* subsp. *paratuberculosis* in bovine milk and faeces by a combination of immunomagnetic bead separation – conventional PCR and real time PCR. *Journal of Clin. Mic.*(42). PP: 1075-1081.
18. Millar. D, Ford. J, Sanderson. J, (1996). IS900 PCR to detect *Mycobacterium paratuberculosis* in retail supplies of whole pasteurized cows milk in England and Wales. *J. App. Env. Mic.* (17). pp: 3446-52.
19. Millar. D, Simon. J.W, Tizard. M.L.V, (1995). Solid – Phase hybridization capture of low abundance target DNA sequences: Application to the polymerase chain reaction detection of *Mycobacterium paratuberculosis* and *Mycobacterium avium* subsp. *silvaticum*. *J. Ana. Bio.* (226). pp: 325-330.
20. Milner. A.R, Mack. W.N, Coates. K.J, (1990). The sensitivity and specificity of modified ELISA for the diagnosis of John's disease from a field trial in cattle. *Vet. Mic.*(25). pp: 193-198.
21. Nielsen. S.S, Thamsborg. S.M, Houe. H, . (2000). Bulk tank milk ELISA antibodies for estimating the prevalence of *paratuberculosis* in Danish dairy herds. *Preventive Veterinary Medicine*.(44). pp:1-7.
22. Nordlund. K.V, Goodger. W.J, Pelletier. J, (1996) Associations between sub clinical *paratuberculosis* and milk production, milk components, and somatic cell counts in dairy herds. *J. Ame. Vet. Med. Ass* (11). pp: 1872-1876.
23. Pavlik. I, Horvathova. A, Dvorska. L, . (1999). Standardisation of restriction fragment length polymorphism analysis for *Mycobacterium avium* subspecies *paratuberculosis*. *J. Mic. Meth.* (38). pp: 155-167.
24. Pillai. S.R, Jayarao. B. M. (2002). Application of IS900 PCR for detection of *Mycobacterium avium* subsp. *paratuberculosis* directly from raw milk. *J. Dairy Sci.* (85). pp: 1052-1057.
25. Quinn. P.J, Carter. M.E, Markey. B, . (1994). *Clinical Veterinary Microbiology*. Wolf Publishing. pp: 167-169.
26. Quinn. P. J, Markey. B.K, Carter. M.E, . (2002) *Veterinary Microbiology and Microbial disease*. Blackwell publishing. pp: 97-105.
27. Stevenson. K, Sharp. J.M. (1997). The contribution of molecular biology to *Mycobacterium avium* subspecies *paratuberculosis* research. *The Vet. J.* (153). pp: 269-286.
28. Streeter. R.N, Hoffsis, G.F, Bech-Neilson. S, (1995). Isolation of *Mycobacterium paratuberculosis* from clostrum and milk of sub clinically infected cows. *Ame. J. Vet. Res*(50). pp:58.
29. Sweeney. R.W, Whitlick. R.H, Hamir. A.N, . (1992). Isolation of *Mycobacterium paratuberculosis* from the milk and supramammary lymphnodes of infected asymptomatic cows. *J. clin. Mic.* (30). pp: 166-171.
30. Taylor. T.K, Wilks. C.R, McQueen. D.S. (1991). Isolation of *Mycobacterium paratuberculosis* from the milk of a cow with John's disease. *Vet. Record* . (109). pp: 532-533.
31. Whipple. D, Kapke. P, Vary. C. (1990). Identification of restriction fragment length polymorphisms in DNA from *Mycobacterium paratuberculosis*. *J. clin. Mic.* (28). pp: 2561-2564.
32. Whittington. R.J, Hope. A.F, Marshall. D.J, . (2000). Molecular epidemiology of *Mycobacterium avium* subsp. *paratuberculosis*: IS900 restriction fragment length polymorphism and IS1311 polymorphism analyses of isolates from animals and a human in Australia. *J. Clin. Mic.* (38). pp: 3240-3248.

33.Wren. B, Dorrell. N.(2002). Functional Microbial Genomics. Volume 33 Academic Press. pp: 3-49